

**Supplementary Table 1** List of differentially methylated genes corresponding to CpG sites in the promoter, sorted by decreasing order of  $\Delta\beta$

Gene	Mean( $\Delta\beta$ )
<i>HIST1H2AJ</i>	0.44
<i>SPDYA</i>	0.43
<i>TM6SF1</i>	0.41
<i>ECE1</i>	0.4
<i>LGALS3</i>	0.4
<i>USP44</i>	0.4
<i>ZAR1</i>	0.4
<i>FAM109B</i>	0.39
<i>FSD1</i>	0.39
<i>LHFPL4</i>	0.39
<i>TTBK1</i>	0.39
<i>APC</i>	0.38
<i>PRDM2</i>	0.38
<i>RGS17</i>	0.38
<i>CDYL</i>	0.37
<i>FOXI3</i>	0.37
<i>PKDREJ</i>	0.37
<i>SIM1</i>	0.37
<i>TRH</i>	0.37
<i>C3orf72</i>	0.36
<i>CCNA1</i>	0.36
<i>CTHRC1</i>	0.36
<i>DKFZp434I1020</i>	0.36
<i>FOXE3</i>	0.36
<i>HIST1H3J</i>	0.36

<i>MIR155HG</i>	0.36
<i>PRKCZ</i>	0.36
<i>RIMS2</i>	0.36
<i>VIPR2</i>	0.36
<i>ZC3HAV1L</i>	0.36
<i>ZNF154</i>	0.36
<i>CCNJ</i>	0.35
<i>CDKL2</i>	0.35
<i>DKK3</i>	0.35
<i>ELF4</i>	0.35
<i>GAS1</i>	0.35
<i>NEDD4L</i>	0.35
<i>ONECUT1</i>	0.35
<i>RADIL</i>	0.35
<i>SLC22A16</i>	0.35
<i>TRIM58</i>	0.35
<i>ZMYND10</i>	0.35
<i>ZNF397OS</i>	0.35
<i>AEBP1</i>	0.34
<i>ANKMY1</i>	0.34
<i>C10orf107</i>	0.34
<i>CDKN2A</i>	0.34
<i>FAM59B</i>	0.34
<i>GPR27</i>	0.34
<i>HOXA9</i>	0.34
<i>KCNA3</i>	0.34
<i>MAFA</i>	0.34
<i>MST1R</i>	0.34
<i>PABPC1L2B</i>	0.34

<i>TSC22D1</i>	0.34
<i>ADCY5</i>	0.33
<i>ATP2B4</i>	0.33
<i>CHST10</i>	0.33
<i>CLDN10</i>	0.33
<i>DUSP4</i>	0.33
<i>ENTPD3</i>	0.33
<i>FBRSL1</i>	0.33
<i>GFRA3</i>	0.33
<i>RASL11B</i>	0.33
<i>RASL12</i>	0.33
<i>SECTM1</i>	0.33
<i>SEPT9</i>	0.33
<i>SHROOM4</i>	0.33
<i>SPINT2</i>	0.33
<i>TBX20</i>	0.33
<i>TSPYL5</i>	0.33
<i>ZFP28</i>	0.33
<i>COTL1</i>	0.32
<i>EBF1</i>	0.32
<i>EFCAB4B</i>	0.32
<i>FCHSD1</i>	0.32
<i>FGF19</i>	0.32
<i>FSCN1</i>	0.32
<i>HDGFRP3</i>	0.32
<i>HIST1H3G</i>	0.32
<i>HMGA1</i>	0.32
<i>IRX1</i>	0.32
<i>ISL2</i>	0.32

<i>LAYN</i>	0.32
<i>PRKAR1B</i>	0.32
<i>SCUBE2</i>	0.32
<i>SLMO1</i>	0.32
<i>STK32C</i>	0.32
<i>TRIL</i>	0.32
<i>ZNF540</i>	0.32
<i>B3GNT7</i>	0.31
<i>BRUNOL6</i>	0.31
<i>C14orf50</i>	0.31
<i>CELSR3</i>	0.31
<i>CFTR</i>	0.31
<i>EPHX3</i>	0.31
<i>FAM159A</i>	0.31
<i>GBX2</i>	0.31
<i>GDF1</i>	0.31
<i>GFI1</i>	0.31
<i>GRHL2</i>	0.31
<i>LDHB</i>	0.31
<i>LPAR2</i>	0.31
<i>LRRN1</i>	0.31
<i>MIR196B</i>	0.31
<i>NAT8L</i>	0.31
<i>PHF21B</i>	0.31
<i>ZNF232</i>	0.31
<i>ADRB1</i>	0.3
<i>AMIGO2</i>	0.3
<i>CCDC37</i>	0.3
<i>CHST14</i>	0.3

<i>DNM3</i>	0.3
<i>DYSF</i>	0.3
<i>EFNB2</i>	0.3
<i>EPHX4</i>	0.3
<i>FOXC1</i>	0.3
<i>HIST1H2BH</i>	0.3
<i>KCNQ1</i>	0.3
<i>N4BP3</i>	0.3
<i>NKAPL</i>	0.3
<i>SLC10A4</i>	0.3
<i>SLC25A39</i>	0.3
<i>SPAG6</i>	0.3
<i>WNT16</i>	0.3
<i>ZBTB8B</i>	0.3
<i>AGAP11</i>	0.29
<i>AKR1B1</i>	0.29
<i>APBB1</i>	0.29
<i>C1QL1</i>	0.29
<i>CLDN5</i>	0.29
<i>CPNE9</i>	0.29
<i>CYB561</i>	0.29
<i>DRD4</i>	0.29
<i>ENDOD1</i>	0.29
<i>FABP5L3</i>	0.29
<i>FAM55C</i>	0.29
<i>FLJ40125</i>	0.29
<i>HOXD3</i>	0.29
<i>HSPA2</i>	0.29
<i>INPP5E</i>	0.29

<i>MAP9</i>	0.29
<i>MCOLN2</i>	0.29
<i>MLNR</i>	0.29
<i>NKX6-2</i>	0.29
<i>OCA2</i>	0.29
<i>PAK1</i>	0.29
<i>SLC7A5</i>	0.29
<i>TNFRSF10C</i>	0.29
<i>TSPYL3</i>	0.29
<i>ZNF781</i>	0.29
<i>AFAP1</i>	0.28
<i>ASCL2</i>	0.28
<i>ASNS</i>	0.28
<i>B4GALNT1</i>	0.28
<i>BMP8A</i>	0.28
<i>CHST2</i>	0.28
<i>CPLX2</i>	0.28
<i>DMRTA2</i>	0.28
<i>DRD5</i>	0.28
<i>FAM43A</i>	0.28
<i>FOXD4</i>	0.28
<i>FOXG1</i>	0.28
<i>FUZ</i>	0.28
<i>GJA4</i>	0.28
<i>GREM1</i>	0.28
<i>INA</i>	0.28
<i>IRF4</i>	0.28
<i>KCNS2</i>	0.28
<i>MGA</i>	0.28

<i>OLIG3</i>	0.28
<i>PIF1</i>	0.28
<i>RBP1</i>	0.28
<i>RNF135</i>	0.28
<i>SCNN1G</i>	0.28
<i>SMPD3</i>	0.28
<i>STEAP4</i>	0.28
<i>SULT1A1</i>	0.28
<i>TCERG1L</i>	0.28
<i>TLX1NB</i>	0.28
<i>TLX2</i>	0.28
<i>TSLP</i>	0.28
<i>TXNRD1</i>	0.28
<i>WDR63</i>	0.28
<i>ZNF625</i>	0.28
<i>ACTN2</i>	0.27
<i>AMIGO3</i>	0.27
<i>BOLL</i>	0.27
<i>C16orf74</i>	0.27
<i>CTPS</i>	0.27
<i>DBX1</i>	0.27
<i>FOXD3</i>	0.27
<i>FRMD5</i>	0.27
<i>GNA11</i>	0.27
<i>HIST3H2A</i>	0.27
<i>HOXA7</i>	0.27
<i>HSF4</i>	0.27
<i>MIR663</i>	0.27
<i>MMP17</i>	0.27

<i>MOBKL2B</i>	0.27
<i>NFKBID</i>	0.27
<i>NKX2-4</i>	0.27
<i>NRSN2</i>	0.27
<i>P2RY1</i>	0.27
<i>PFKP</i>	0.27
<i>PROCA1</i>	0.27
<i>RPP25</i>	0.27
<i>SCN3B</i>	0.27
<i>SDK1</i>	0.27
<i>SIX3</i>	0.27
<i>SLC26A4</i>	0.27
<i>TBX15</i>	0.27
<i>VASH2</i>	0.27
<i>ZBBX</i>	0.27
<i>ZIC4</i>	0.27
<i>ZNF132</i>	0.27
<i>ZNF496</i>	0.27
<i>ARL4C</i>	0.26
<i>C12orf42</i>	0.26
<i>C2orf39</i>	0.26
<i>CBLN3</i>	0.26
<i>CRMP1</i>	0.26
<i>CXXC5</i>	0.26
<i>DEGS2</i>	0.26
<i>DLK1</i>	0.26
<i>DUOX1</i>	0.26
<i>FAR1</i>	0.26
<i>GALNT3</i>	0.26



<i>INSM2</i>	0.26
<i>KLRG2</i>	0.26
<i>LOC284798</i>	0.26
<i>LRRC32</i>	0.26
<i>LY75</i>	0.26
<i>MAP1B</i>	0.26
<i>MFSD4</i>	0.26
<i>MIR124-3</i>	0.26
<i>MYCBPAP</i>	0.26
<i>NEFM</i>	0.26
<i>NXNL2</i>	0.26
<i>PAX6</i>	0.26
<i>PTGDR</i>	0.26
<i>RUNDC3A</i>	0.26
<i>SALL3</i>	0.26
<i>SLC25A36</i>	0.26
<i>SOX8</i>	0.26
<i>STK33</i>	0.26
<i>VASH1</i>	0.26
<i>VAX1</i>	0.26
<i>XKR6</i>	0.26
<i>ZFP82</i>	0.26
<i>psiTPTE22</i>	0.26
<i>ALS2CR11</i>	0.25
<i>ANKRD45</i>	0.25
<i>ARHGAP8</i>	0.25
<i>B4GALT6</i>	0.25
<i>CLIP3</i>	0.25
<i>COL7A1</i>	0.25

<i>CRIP2</i>	0.25
<i>EN2</i>	0.25
<i>ERG</i>	0.25
<i>FAM123A</i>	0.25
<i>FLJ32063</i>	0.25
<i>FLNC</i>	0.25
<i>FZD1</i>	0.25
<i>GFOD1</i>	0.25
<i>HCG4P6</i>	0.25
<i>HIST1H1D</i>	0.25
<i>HIST1H2BI</i>	0.25
<i>KCNC3</i>	0.25
<i>MOXD1</i>	0.25
<i>MYF5</i>	0.25
<i>NEFH</i>	0.25
<i>NPTX2</i>	0.25
<i>NR2E1</i>	0.25
<i>PPYR1</i>	0.25
<i>SGIP1</i>	0.25
<i>SLITRK5</i>	0.25
<i>SNX32</i>	0.25
<i>SPOCK2</i>	0.25
<i>THY1</i>	0.25
<i>TLX1</i>	0.25
<i>TRIB2</i>	0.25
<i>UCHL1</i>	0.25
<i>WNT2</i>	0.25
<i>BAALC</i>	0.24
<i>BARHL2</i>	0.24

<i>BHLHA9</i>	0.24
<i>CA3</i>	0.24
<i>CALCA</i>	0.24
<i>DPY19L2</i>	0.24
<i>ELOVL4</i>	0.24
<i>ESR1</i>	0.24
<i>EYA4</i>	0.24
<i>FAM69B</i>	0.24
<i>FLJ26850</i>	0.24
<i>FZD8</i>	0.24
<i>GPR150</i>	0.24
<i>HES4</i>	0.24
<i>HEYL</i>	0.24
<i>INSM1</i>	0.24
<i>KLHL36</i>	0.24
<i>LEP</i>	0.24
<i>LOC728392</i>	0.24
<i>MREG</i>	0.24
<i>NINL</i>	0.24
<i>NMBR</i>	0.24
<i>PAQR8</i>	0.24
<i>PCSK1</i>	0.24
<i>POU3F1</i>	0.24
<i>PRDM14</i>	0.24
<i>RET</i>	0.24
<i>SIX6</i>	0.24
<i>SNX31</i>	0.24
<i>TEKT2</i>	0.24
<i>TET1</i>	0.24

<i>TOX2</i>	0.24
<i>TP73</i>	0.24
<i>UCP2</i>	0.24
<i>ZIC1</i>	0.24
<i>ZNF148</i>	0.24
<i>ZNF391</i>	0.24
<i>ZNF48</i>	0.24
<i>AP3B2</i>	0.23
<i>BHLHE23</i>	0.23
<i>C11orf88</i>	0.23
<i>C1QL2</i>	0.23
<i>C1orf59</i>	0.23
<i>CALB1</i>	0.23
<i>CCDC147</i>	0.23
<i>CORO2B</i>	0.23
<i>CPEB1</i>	0.23
<i>CRABP1</i>	0.23
<i>FLJ45983</i>	0.23
<i>GABRA4</i>	0.23
<i>HCG11</i>	0.23
<i>KCNC4</i>	0.23
<i>KCTD4</i>	0.23
<i>KIAA1257</i>	0.23
<i>MIR129-2</i>	0.23
<i>MRGPRF</i>	0.23
<i>NDUFA4L2</i>	0.23
<i>NPY1R</i>	0.23
<i>PCDH8</i>	0.23
<i>PENK</i>	0.23

<i>PISD</i>	0.23
<i>RERG</i>	0.23
<i>SLC6A3</i>	0.23
<i>SLC6A7</i>	0.23
<i>TBX2</i>	0.23
<i>TCF15</i>	0.23
<i>TUBB6</i>	0.23
<i>WDR52</i>	0.23
<i>ZNF354C</i>	0.23
<i>ZNF701</i>	0.23
<i>ZSCAN23</i>	0.23
<i>ACTA1</i>	0.22
<i>ARL9</i>	0.22
<i>BMP2</i>	0.22
<i>BNC1</i>	0.22
<i>BRF1</i>	0.22
<i>C13orf15</i>	0.22
<i>C14orf162</i>	0.22
<i>C15orf26</i>	0.22
<i>CBFA2T3</i>	0.22
<i>CCDC48</i>	0.22
<i>CLDN6</i>	0.22
<i>COL2A1</i>	0.22
<i>COX6B2</i>	0.22
<i>CR1L</i>	0.22
<i>DHDH</i>	0.22
<i>GPX7</i>	0.22
<i>HIST3H2BB</i>	0.22
<i>HOXD11</i>	0.22

<i>IGF2BP1</i>	0.22
<i>KCNE1</i>	0.22
<i>KCNS3</i>	0.22
<i>KIAA1324</i>	0.22
<i>MBOAT2</i>	0.22
<i>MGC35308</i>	0.22
<i>MKX</i>	0.22
<i>MTERFD3</i>	0.22
<i>MYO10</i>	0.22
<i>NETO2</i>	0.22
<i>PACSIN1</i>	0.22
<i>PAX9</i>	0.22
<i>POU4F1</i>	0.22
<i>PRKCH</i>	0.22
<i>RFX8</i>	0.22
<i>SCRN1</i>	0.22
<i>TDRD5</i>	0.22
<i>THBS4</i>	0.22
<i>TLX3</i>	0.22
<i>TMEM155</i>	0.22
<i>TRIM17</i>	0.22
<i>UFSP2</i>	0.22
<i>AIF1</i>	0.21
<i>ALPL</i>	0.21
<i>API5</i>	0.21
<i>CDH23</i>	0.21
<i>CLEC14A</i>	0.21
<i>CNR1</i>	0.21
<i>CRHR2</i>	0.21

<i>GLB1L2</i>	0.21
<i>GPR6</i>	0.21
<i>GPR78</i>	0.21
<i>HOXA13</i>	0.21
<i>LOC400931</i>	0.21
<i>MAP4K1</i>	0.21
<i>MIR9-1</i>	0.21
<i>MTNR1B</i>	0.21
<i>NFYC</i>	0.21
<i>NTRK3</i>	0.21
<i>OXCT1</i>	0.21
<i>PPP1R16B</i>	0.21
<i>RGS9BP</i>	0.21
<i>RSPO2</i>	0.21
<i>SCG3</i>	0.21
<i>SEMA5A</i>	0.21
<i>SRRT</i>	0.21
<i>TMEM108</i>	0.21
<i>TMSL3</i>	0.21
<i>ZFP3</i>	0.21
<i>ZNF702P</i>	0.21
<i>ZSCAN12</i>	0.21
<i>ABO</i>	0.2
<i>C2orf27B</i>	0.2
<i>CNRIP1</i>	0.2
<i>CRTAC1</i>	0.2
<i>DYDC1</i>	0.2
<i>FGF9</i>	0.2
<i>GHSR</i>	0.2

<i>HMSD</i>	0.2
<i>ID4</i>	0.2
<i>IRAK3</i>	0.2
<i>KCNIP2</i>	0.2
<i>LMOD1</i>	0.2
<i>NANOS1</i>	0.2
<i>POU3F2</i>	0.2
<i>RBMS3</i>	0.2
<i>RXRG</i>	0.2
<i>SHKBP1</i>	0.2
<i>TFCP2L1</i>	0.2
<i>TMEM130</i>	0.2
<i>ZNF177</i>	0.2
<i>BPI</i>	-0.2
<i>C12orf63</i>	-0.2
<i>CPA4</i>	-0.2
<i>CXCR2</i>	-0.2
<i>FAM71F1</i>	-0.2
<i>FAM90A1</i>	-0.2
<i>IL3</i>	-0.2
<i>KCNG4</i>	-0.2
<i>KLRC1</i>	-0.2
<i>KRTAP19-3</i>	-0.2
<i>LTA</i>	-0.2
<i>MRGPRX1</i>	-0.2
<i>PRG2</i>	-0.2
<i>S100A3</i>	-0.2
<i>SNX20</i>	-0.2
<i>SOST</i>	-0.2



<i>SULT1C2</i>	-0.2
<i>ZBED2</i>	-0.2
<i>ZSCAN4</i>	-0.2
<i>C20orf114</i>	-0.21
<i>CD19</i>	-0.21
<i>CLDN15</i>	-0.21
<i>CLEC4M</i>	-0.21
<i>GLTSCR2</i>	-0.21
<i>IL10RA</i>	-0.21
<i>ITM2A</i>	-0.21
<i>LCN15</i>	-0.21
<i>MARCH1</i>	-0.21
<i>MARCO</i>	-0.21
<i>MC2R</i>	-0.21
<i>MSLN</i>	-0.21
<i>MSR1</i>	-0.21
<i>MUC15</i>	-0.21
<i>PDE6B</i>	-0.21
<i>PRR5</i>	-0.21
<i>PUF60</i>	-0.21
<i>RCVRN</i>	-0.21
<i>SMCP</i>	-0.21
<i>TAS2R1</i>	-0.21
<i>TBC1D3C</i>	-0.21
<i>TGM5</i>	-0.21
<i>TNF</i>	-0.21
<i>TNFRSF13B</i>	-0.21
<i>TNFSF15</i>	-0.21
<i>TPSAB1</i>	-0.21

<i>TXNL4A</i>	-0.21
<i>A2ML1</i>	-0.22
<i>ACPT</i>	-0.22
<i>C3orf27</i>	-0.22
<i>CCL18</i>	-0.22
<i>CDH26</i>	-0.22
<i>CLIC1</i>	-0.22
<i>CPO</i>	-0.22
<i>DEFA1B</i>	-0.22
<i>DIRAS3</i>	-0.22
<i>ERP27</i>	-0.22
<i>FFAR2</i>	-0.22
<i>FFAR3</i>	-0.22
<i>GJD4</i>	-0.22
<i>KLK6</i>	-0.22
<i>KRT82</i>	-0.22
<i>KRTAP11-1</i>	-0.22
<i>KRTAP6-2</i>	-0.22
<i>LCE1E</i>	-0.22
<i>LW-1</i>	-0.22
<i>LZTS1</i>	-0.22
<i>MYT1</i>	-0.22
<i>NOTCH4</i>	-0.22
<i>PDPK1</i>	-0.22
<i>PPP1R3A</i>	-0.22
<i>PVALB</i>	-0.22
<i>SBSN</i>	-0.22
<i>SGCA</i>	-0.22
<i>SNAR-C5</i>	-0.22

<i>TFF3</i>	-0.22
<i>TPSB2</i>	-0.22
<i>TRIM31</i>	-0.22
<i>UCN3</i>	-0.22
<i>ATP6V0D2</i>	-0.23
<i>CCDC27</i>	-0.23
<i>CCL1</i>	-0.23
<i>CD300C</i>	-0.23
<i>CNTN4</i>	-0.23
<i>CSAG3A</i>	-0.23
<i>CSGALNACT1</i>	-0.23
<i>DNAJB8</i>	-0.23
<i>GPR1</i>	-0.23
<i>GPR109A</i>	-0.23
<i>GTSF1</i>	-0.23
<i>HSPA12B</i>	-0.23
<i>INSL4</i>	-0.23
<i>KRT16</i>	-0.23
<i>KRT6A</i>	-0.23
<i>KRTAP13-4</i>	-0.23
<i>LOC645166</i>	-0.23
<i>MAB21L1</i>	-0.23
<i>NLRP12</i>	-0.23
<i>OR3A1</i>	-0.23
<i>PCP4</i>	-0.23
<i>PDHA2</i>	-0.23
<i>PYHIN1</i>	-0.23
<i>REXO1L2P</i>	-0.23
<i>SLC39A12</i>	-0.23

<i>TCL1A</i>	-0.23
<i>ADAM2</i>	-0.24
<i>ALOX12B</i>	-0.24
<i>C10orf27</i>	-0.24
<i>C16orf78</i>	-0.24
<i>C1orf150</i>	-0.24
<i>CKM</i>	-0.24
<i>CSNK1A1L</i>	-0.24
<i>CYTL1</i>	-0.24
<i>DNTT</i>	-0.24
<i>ESRRB</i>	-0.24
<i>FCRL3</i>	-0.24
<i>HEPACAM2</i>	-0.24
<i>KCTD1</i>	-0.24
<i>KRTAP13-1</i>	-0.24
<i>KRTAP19-5</i>	-0.24
<i>LCE4A</i>	-0.24
<i>MC3R</i>	-0.24
<i>MFAP5</i>	-0.24
<i>NLRP5</i>	-0.24
<i>PRSSL1</i>	-0.24
<i>SSX7</i>	-0.24
<i>TMEM200A</i>	-0.24
<i>TUBB4</i>	-0.24
<i>A2BP1</i>	-0.25
<i>ACER1</i>	-0.25
<i>ATP10A</i>	-0.25
<i>BLK</i>	-0.25
<i>C1QB</i>	-0.25

<i>C20orf79</i>	-0.25
<i>CD300LF</i>	-0.25
<i>CDSN</i>	-0.25
<i>EDNRB</i>	-0.25
<i>GPR142</i>	-0.25
<i>KIR2DL1</i>	-0.25
<i>KLK9</i>	-0.25
<i>KRT84</i>	-0.25
<i>KRTAP6-1</i>	-0.25
<i>KRTHB3</i>	-0.25
<i>LRRC7</i>	-0.25
<i>MYL1</i>	-0.25
<i>NPBWR2</i>	-0.25
<i>OR12D3</i>	-0.25
<i>OR8B8</i>	-0.25
<i>PIK3R5</i>	-0.25
<i>RBP3</i>	-0.25
<i>SSX4</i>	-0.25
<i>TRYX3</i>	-0.25
<i>ATXN3</i>	-0.26
<i>C6orf118</i>	-0.26
<i>CD40LG</i>	-0.26
<i>CLEC7A</i>	-0.26
<i>CST11</i>	-0.26
<i>DCD</i>	-0.26
<i>ELAVL4</i>	-0.26
<i>FPR1</i>	-0.26
<i>GPR148</i>	-0.26
<i>HK2</i>	-0.26

<i>KCNA10</i>	-0.26
<i>KCNIP1</i>	-0.26
<i>KIR3DL1</i>	-0.26
<i>KRT13</i>	-0.26
<i>KRT15</i>	-0.26
<i>KRT25</i>	-0.26
<i>KRT6B</i>	-0.26
<i>LCE1B</i>	-0.26
<i>MAGEA5</i>	-0.26
<i>MS4A5</i>	-0.26
<i>MYH6</i>	-0.26
<i>NEUROD6</i>	-0.26
<i>ODF3</i>	-0.26
<i>PGLYRP3</i>	-0.26
<i>PLXNA4</i>	-0.26
<i>REXO1L1</i>	-0.26
<i>SCGB1D1</i>	-0.26
<i>ZNF137</i>	-0.26
<i>ACTL8</i>	-0.27
<i>BAI1</i>	-0.27
<i>C5orf20</i>	-0.27
<i>CD1A</i>	-0.27
<i>CD1E</i>	-0.27
<i>CSRP3</i>	-0.27
<i>CTAG2</i>	-0.27
<i>DLGAP4</i>	-0.27
<i>FLG</i>	-0.27
<i>KRT85</i>	-0.27
<i>LAIR1</i>	-0.27

<i>LYZL4</i>	-0.27
<i>MAGEA8</i>	-0.27
<i>SIRPD</i>	-0.27
<i>SLC16A1</i>	-0.27
<i>TCN1</i>	-0.27
<i>TFF2</i>	-0.27
<i>TNNI1</i>	-0.27
<i>AMPH</i>	-0.28
<i>BRS3</i>	-0.28
<i>C15orf32</i>	-0.28
<i>CABP5</i>	-0.28
<i>CLDN8</i>	-0.28
<i>CRCT1</i>	-0.28
<i>CUBN</i>	-0.28
<i>GPR132</i>	-0.28
<i>KRT31</i>	-0.28
<i>KRT5</i>	-0.28
<i>LOC254312</i>	-0.28
<i>LY6D</i>	-0.28
<i>NLRP8</i>	-0.28
<i>POM121L12</i>	-0.28
<i>REG1B</i>	-0.28
<i>UBL4B</i>	-0.28
<i>WFDC1</i>	-0.28
<i>WFDC10B</i>	-0.28
<i>ZNF645</i>	-0.28
<i>C20orf197</i>	-0.29
<i>CD93</i>	-0.29
<i>CMKLR1</i>	-0.29

<i>EMR3</i>	-0.29
<i>HAS1</i>	-0.29
<i>KRT32</i>	-0.29
<i>KRT73</i>	-0.29
<i>KRTAP17-1</i>	-0.29
<i>LOR</i>	-0.29
<i>PAGE1</i>	-0.29
<i>SLC8A1</i>	-0.29
<i>COL6A3</i>	-0.3
<i>DEFB127</i>	-0.3
<i>FCRL5</i>	-0.3
<i>FREM2</i>	-0.3
<i>GPR141</i>	-0.3
<i>KRT1</i>	-0.3
<i>LCE1F</i>	-0.3
<i>LILRB1</i>	-0.3
<i>MAGEC1</i>	-0.3
<i>MAGEC2</i>	-0.3
<i>METTL11B</i>	-0.3
<i>MIR496</i>	-0.3
<i>NCAN</i>	-0.3
<i>OR2G6</i>	-0.3
<i>OR2T5</i>	-0.3
<i>OR5P2</i>	-0.3
<i>PAX4</i>	-0.3
<i>RGMA</i>	-0.3
<i>S100A12</i>	-0.3
<i>SPRR4</i>	-0.3
<i>ZFP2</i>	-0.3



<i>CLDN17</i>	-0.31
<i>DCAF4L2</i>	-0.31
<i>EIF3IP1</i>	-0.31
<i>ESRRG</i>	-0.31
<i>GABRB3</i>	-0.31
<i>GRM4</i>	-0.31
<i>HPYR1</i>	-0.31
<i>KPRP</i>	-0.31
<i>MAGEB18</i>	-0.31
<i>MIR181B1</i>	-0.31
<i>MIR516B2</i>	-0.31
<i>MKRN3</i>	-0.31
<i>MYO3A</i>	-0.31
<i>OC90</i>	-0.31
<i>OR14J1</i>	-0.31
<i>OR2M4</i>	-0.31
<i>OR2M5</i>	-0.31
<i>OR2T6</i>	-0.31
<i>OR4F15</i>	-0.31
<i>SERPINB12</i>	-0.31
<i>SLC6A14</i>	-0.31
<i>C15orf60</i>	-0.32
<i>FCAR</i>	-0.32
<i>GPR174</i>	-0.32
<i>H2BFM</i>	-0.32
<i>KRT33A</i>	-0.32
<i>MIR299</i>	-0.32
<i>MIR892A</i>	-0.32
<i>OR11L1</i>	-0.32

<i>OR14A16</i>	-0.32
<i>OR2T29</i>	-0.32
<i>PRKCQ</i>	-0.32
<i>SPANXD</i>	-0.32
<i>SPRR2C</i>	-0.32
<i>SPRR3</i>	-0.32
<i>TCHHL1</i>	-0.32
<i>TPO</i>	-0.32
<i>CDH18</i>	-0.33
<i>GAGE5</i>	-0.33
<i>GOLSYN</i>	-0.33
<i>IVL</i>	-0.33
<i>KRTHA3B</i>	-0.33
<i>MMP26</i>	-0.33
<i>OR2B11</i>	-0.33
<i>OR2L8</i>	-0.33
<i>OR2M1P</i>	-0.33
<i>OR5E1P</i>	-0.33
<i>PAEP</i>	-0.33
<i>SLC10A6</i>	-0.33
<i>CXorf67</i>	-0.34
<i>GML</i>	-0.34
<i>MAGEB6</i>	-0.34
<i>MIR656</i>	-0.34
<i>OR7C2</i>	-0.34
<i>SPRR2A</i>	-0.34
<i>TMEM71</i>	-0.34
<i>VSTM1</i>	-0.34
<i>OR6Y1</i>	-0.35

<i>SPRR2E</i>	-0.35
<i>CSMD3</i>	-0.36
<i>MAGEA6</i>	-0.36
<i>OR10K2</i>	-0.36
<i>OR1C1</i>	-0.36
<i>OR6K6</i>	-0.36
<i>MYT1L</i>	-0.37
<i>OR6F1</i>	-0.37
<i>PHACTR3</i>	-0.37
<i>SPRR1A</i>	-0.37
<i>MAGEA3</i>	-0.38
<i>SPRR2D</i>	-0.38
<i>GAGE2</i>	-0.39
<i>OR2M7</i>	-0.4
<i>HRNBP3</i>	-0.41

**Supplementary Table 2 List of differentially methylated genes corresponding to CpG sites in the body of the gene, sorted by decreasing order of  $\Delta\beta$**

Gene	Mean ( $\Delta\beta$ )
<i>ZNF702P</i>	0.46
<i>DNAJA4</i>	0.44
<i>LOC100132111</i>	0.42
<i>C5orf49</i>	0.41
<i>GRIN1</i>	0.41
<i>CPAMD8</i>	0.4
<i>KIAA1522</i>	0.4
<i>PLEC1</i>	0.4
<i>C8orf73</i>	0.39
<i>GMDS</i>	0.39
<i>MFI2</i>	0.39
<i>NKX6-2</i>	0.38
<i>OTX1</i>	0.38
<i>THAP4</i>	0.38
<i>C10orf41</i>	0.37
<i>C20orf56</i>	0.37
<i>CLCN1</i>	0.37
<i>LOC146880</i>	0.37
<i>MYF6</i>	0.37
<i>VASH2</i>	0.37
<i>WNT2B</i>	0.37
<i>C9orf122</i>	0.36
<i>CYP26A1</i>	0.36
<i>PITX1</i>	0.36
<i>CDGAP</i>	0.35

<i>LOC151174</i>	0.35
<i>NKX3-2</i>	0.35
<i>GALR3</i>	0.34
<i>HAPLN4</i>	0.34
<i>HDAC7</i>	0.34
<i>HEPACAM</i>	0.34
<i>RASGEF1A</i>	0.34
<i>SIX1</i>	0.34
<i>SOCS2</i>	0.34
<i>B4GALNT1</i>	0.33
<i>BEND4</i>	0.33
<i>MAST1</i>	0.33
<i>PPFIA3</i>	0.33
<i>SERHL</i>	0.33
<i>TP73</i>	0.33
<i>VGF</i>	0.33
<i>ALX3</i>	0.32
<i>BCL2</i>	0.32
<i>CAMTA1</i>	0.32
<i>DUSP5P</i>	0.32
<i>EVI5L</i>	0.32
<i>NRXN2</i>	0.32
<i>SEMA4A</i>	0.32
<i>SPINT1</i>	0.32
<i>TRIM54</i>	0.32
<i>ZFP64</i>	0.32
<i>APBB2</i>	0.31
<i>CD163L1</i>	0.31
<i>EMX1</i>	0.31

<i>KCNS2</i>	0.31
<i>KLC2</i>	0.31
<i>NTNG2</i>	0.31
<i>SIM1</i>	0.31
<i>TRIP10</i>	0.31
<i>ADRA1D</i>	0.3
<i>ALDH1L2</i>	0.3
<i>C6orf223</i>	0.3
<i>CES8</i>	0.3
<i>FAM172A</i>	0.3
<i>HPCA</i>	0.3
<i>MIXL1</i>	0.3
<i>VAX1</i>	0.3
<i>ZIC5</i>	0.3
<i>ADAM8</i>	0.29
<i>CACNG8</i>	0.29
<i>CDK5R1</i>	0.29
<i>CPLX1</i>	0.29
<i>EPCAM</i>	0.29
<i>FABP5</i>	0.29
<i>GSC2</i>	0.29
<i>IRF4</i>	0.29
<i>LBXCOR1</i>	0.29
<i>LIMK1</i>	0.29
<i>LOC339524</i>	0.29
<i>LOC729991-MEF2 B</i>	0.29
<i>MACROD1</i>	0.29
<i>NCRNA00085</i>	0.29

<i>NR2E1</i>	0.29
<i>OXTR</i>	0.29
<i>PAX6</i>	0.29
<i>PDE4D</i>	0.29
<i>AMH</i>	0.28
<i>B3GNT7</i>	0.28
<i>EMILIN2</i>	0.28
<i>F2R</i>	0.28
<i>GSTM1</i>	0.28
<i>GSTM2</i>	0.28
<i>HCG9</i>	0.28
<i>ITGAE</i>	0.28
<i>MTMR7</i>	0.28
<i>PPP2R5C</i>	0.28
<i>PRSS16</i>	0.28
<i>RBP1</i>	0.28
<i>SPON1</i>	0.28
<i>COMP</i>	0.27
<i>GCOM1</i>	0.27
<i>NKPD1</i>	0.27
<i>ODZ4</i>	0.27
<i>PAR6A</i>	0.27
<i>RAB34</i>	0.27
<i>TLX1</i>	0.27
<i>TRIM9</i>	0.27
<i>CAMK2B</i>	0.26
<i>CD8B</i>	0.26
<i>GSTP1</i>	0.26
<i>MDGA1</i>	0.26

<i>NFATC4</i>	0.26
<i>NPR3</i>	0.26
<i>PCDHGA4</i>	0.26
<i>PFKM</i>	0.26
<i>POU4F1</i>	0.26
<i>PRRT1</i>	0.26
<i>SPOCK2</i>	0.26
<i>TBR1</i>	0.26
<i>ACTL6B</i>	0.25
<i>ACTN3</i>	0.25
<i>ANKMY1</i>	0.25
<i>ATP8A2</i>	0.25
<i>C8orf56</i>	0.25
<i>C8orf85</i>	0.25
<i>DLX5</i>	0.25
<i>DLX6AS</i>	0.25
<i>GLB1L2</i>	0.25
<i>HLA-B</i>	0.25
<i>HOXA11AS</i>	0.25
<i>ISM2</i>	0.25
<i>LY75</i>	0.25
<i>MIR124-3</i>	0.25
<i>NMNAT2</i>	0.25
<i>NOS2</i>	0.25
<i>OSR2</i>	0.25
<i>RASSF5</i>	0.25
<i>RUNX3</i>	0.25
<i>SCARF2</i>	0.25
<i>SLC11A1</i>	0.25



<i>TBX2</i>	0.25
<i>TBX21</i>	0.25
<i>ZNF83</i>	0.25
<i>AMN</i>	0.24
<i>AP3B2</i>	0.24
<i>CABP7</i>	0.24
<i>CELSR3</i>	0.24
<i>COL2A1</i>	0.24
<i>NAV1</i>	0.24
<i>PRDM8</i>	0.24
<i>SHANK1</i>	0.24
<i>SYNPO2L</i>	0.24
<i>TBX4</i>	0.24
<i>ZIC4</i>	0.24
<i>ZNF521</i>	0.24
<i>AKR1E2</i>	0.23
<i>ALDH3A1</i>	0.23
<i>ATL1</i>	0.23
<i>CYP4F22</i>	0.23
<i>HOXA9</i>	0.23
<i>ILDR2</i>	0.23
<i>SPHK2</i>	0.23
<i>SPRED3</i>	0.23
<i>TLX2</i>	0.23
<i>VWA5B1</i>	0.23
<i>WNT7A</i>	0.23
<i>BCAN</i>	0.22
<i>C2orf55</i>	0.22
<i>CA4</i>	0.22

<i>DSC3</i>	0.22
<i>FLJ32063</i>	0.22
<i>GRHL3</i>	0.22
<i>LIPE</i>	0.22
<i>LRRC34</i>	0.22
<i>LYPD5</i>	0.22
<i>MAP1LC3C</i>	0.22
<i>NMUR1</i>	0.22
<i>PLLP</i>	0.22
<i>POLR1A</i>	0.22
<i>PRKCG</i>	0.22
<i>SCN2A2</i>	0.22
<i>SH3BP2</i>	0.22
<i>TACC2</i>	0.22
<i>WNT9A</i>	0.22
<i>C6orf139</i>	0.21
<i>CACNA2D2</i>	0.21
<i>CBR3</i>	0.21
<i>CHGA</i>	0.21
<i>CUX2</i>	0.21
<i>DGKG</i>	0.21
<i>FOXB1</i>	0.21
<i>HOXD3</i>	0.21
<i>HOXD4</i>	0.21
<i>LMX1A</i>	0.21
<i>PALM2-AKAP2</i>	0.21
<i>PRKCH</i>	0.21
<i>SPAG6</i>	0.21
<i>TNNC2</i>	0.21

<i>UCP1</i>	0.21
<i>CCND2</i>	0.2
<i>CPNE9</i>	0.2
<i>IGSF22</i>	0.2
<i>KCNS1</i>	0.2
<i>LAMC2</i>	0.2
<i>SYT5</i>	0.2
<i>CLPS</i>	-0.2
<i>GUCA2A</i>	-0.2
<i>HTR3C</i>	-0.2
<i>IL10</i>	-0.2
<i>KCNJ12</i>	-0.2
<i>LILRA3</i>	-0.2
<i>TNFRSF4</i>	-0.2
<i>ARHGEF18</i>	-0.21
<i>CCDC108</i>	-0.21
<i>CDA</i>	-0.21
<i>CPA6</i>	-0.21
<i>EBI3</i>	-0.21
<i>FLJ46358</i>	-0.21
<i>GH2</i>	-0.21
<i>GPR12</i>	-0.21
<i>GZMH</i>	-0.21
<i>HBE1</i>	-0.21
<i>PRTN3</i>	-0.21
<i>RGPD5</i>	-0.21
<i>SEC63D1</i>	-0.21
<i>SERPINB3</i>	-0.21
<i>SERPINB4</i>	-0.21

<i>SLC7A11</i>	-0.21
<i>TFF1</i>	-0.21
<i>ABO</i>	-0.22
<i>BPIL3</i>	-0.22
<i>CPA1</i>	-0.22
<i>GALNT13</i>	-0.22
<i>GATA5</i>	-0.22
<i>HCRT2</i>	-0.22
<i>KIR3DL1</i>	-0.22
<i>LELP1</i>	-0.22
<i>SIGLEC6</i>	-0.22
<i>SPACA3</i>	-0.22
<i>UBQLN3</i>	-0.22
<i>CSNK1A1L</i>	-0.23
<i>DEFB4</i>	-0.23
<i>DOCK8</i>	-0.23
<i>H19</i>	-0.23
<i>KLK15</i>	-0.23
<i>LPAR4</i>	-0.23
<i>NCKAP1L</i>	-0.23
<i>PSCA</i>	-0.23
<i>PSMD2</i>	-0.23
<i>TLR7</i>	-0.23
<i>AGBL4</i>	-0.24
<i>AMICA1</i>	-0.24
<i>C1orf150</i>	-0.24
<i>CEACAM5</i>	-0.24
<i>EFCAB3</i>	-0.24
<i>HEXB</i>	-0.24

<i>LILRB4</i>	-0.24
<i>MYOCD</i>	-0.24
<i>NTM</i>	-0.24
<i>SCDR10</i>	-0.24
<i>SLC12A1</i>	-0.24
<i>DEFA5</i>	-0.25
<i>GYPA</i>	-0.25
<i>IL17A</i>	-0.25
<i>NDUFB11</i>	-0.25
<i>ATP10A</i>	-0.26
<i>C10orf99</i>	-0.26
<i>CPXM2</i>	-0.26
<i>FLJ44674</i>	-0.26
<i>JAKMIP3</i>	-0.26
<i>KIAA1026</i>	-0.26
<i>LAIR1</i>	-0.26
<i>LAIR2</i>	-0.26
<i>OR2F1</i>	-0.26
<i>PI3</i>	-0.26
<i>PRSS2</i>	-0.26
<i>SLC22A18</i>	-0.26
<i>ZNF185</i>	-0.26
<i>FLJ43860</i>	-0.27
<i>KRTDAP</i>	-0.27
<i>CALN1</i>	-0.28
<i>CEACAM7</i>	-0.28
<i>COL6A4P2</i>	-0.28
<i>EPS8L1</i>	-0.28
<i>FGF6</i>	-0.28

<i>IGF2AS</i>	-0.28
<i>KCNQ1</i>	-0.28
<i>NLRP10</i>	-0.28
<i>SPRYD5</i>	-0.28
<i>CCL7</i>	-0.29
<i>CYP11B2</i>	-0.29
<i>DMRTC1</i>	-0.29
<i>FLJ30046</i>	-0.29
<i>KIR3DL2</i>	-0.29
<i>ATP13A5</i>	-0.3
<i>CRISPLD1</i>	-0.3
<i>DBX2</i>	-0.3
<i>DPP6</i>	-0.3
<i>FABP6</i>	-0.3
<i>FAM66E</i>	-0.3
<i>FBXL7</i>	-0.3
<i>GABRA5</i>	-0.3
<i>GRM6</i>	-0.3
<i>HAR1B</i>	-0.3
<i>KCNK9</i>	-0.3
<i>KCNQ2</i>	-0.3
<i>KIR3DX1</i>	-0.3
<i>LALBA</i>	-0.3
<i>LOC285696</i>	-0.3
<i>NTRK2</i>	-0.3
<i>OCA2</i>	-0.3
<i>PDE1C</i>	-0.3
<i>PLAC1L</i>	-0.3
<i>PLEKHG4B</i>	-0.3

<i>PPAPDC1A</i>	-0.3
<i>RADIL</i>	-0.3
<i>SGCD</i>	-0.3
<i>SLC9A11</i>	-0.3
<i>SYN2</i>	-0.3
<i>VSTM2A</i>	-0.3
<i>ZFPM2</i>	-0.3
<i>ABR</i>	-0.31
<i>AGBL1</i>	-0.31
<i>APBA2</i>	-0.31
<i>ASB18</i>	-0.31
<i>C14orf177</i>	-0.31
<i>CDH4</i>	-0.31
<i>CEACAM6</i>	-0.31
<i>CHRNA7</i>	-0.31
<i>DSCAML1</i>	-0.31
<i>FAM90A1</i>	-0.31
<i>FSCN1</i>	-0.31
<i>GABBR1</i>	-0.31
<i>GLI2</i>	-0.31
<i>GLRA1</i>	-0.31
<i>GPR123</i>	-0.31
<i>INS-IGF2</i>	-0.31
<i>KCNIP1</i>	-0.31
<i>KCNJ2</i>	-0.31
<i>MMEL1</i>	-0.31
<i>OR2M1P</i>	-0.31
<i>PBX1</i>	-0.31
<i>PCLO</i>	-0.31

<i>PDE10A</i>	-0.31
<i>PGLYRP3</i>	-0.31
<i>PLVAP</i>	-0.31
<i>PRRX2</i>	-0.31
<i>RICH2</i>	-0.31
<i>SFMBT2</i>	-0.31
<i>TPO</i>	-0.31
<i>UNC13A</i>	-0.31
<i>XKR4</i>	-0.31
<i>A2BP1</i>	-0.32
<i>ACTN2</i>	-0.32
<i>ADCY2</i>	-0.32
<i>ASTN1</i>	-0.32
<i>ASTN2</i>	-0.32
<i>FMN2</i>	-0.32
<i>FRMPD4</i>	-0.32
<i>KCNB2</i>	-0.32
<i>PLXNA4</i>	-0.32
<i>PRDM16</i>	-0.32
<i>RUNX1T1</i>	-0.32
<i>SPHKAP</i>	-0.32
<i>SPRR3</i>	-0.32
<i>SYNPR</i>	-0.32
<i>THBS2</i>	-0.32
<i>TMEM132D</i>	-0.32
<i>UNC5A</i>	-0.32
<i>ANGPT1</i>	-0.33
<i>DPP10</i>	-0.33
<i>FAM90A14</i>	-0.33



<i>KCNK2</i>	-0.33
<i>MGAT5B</i>	-0.33
<i>NRXN3</i>	-0.33
<i>PXDN</i>	-0.33
<i>RALYL</i>	-0.33
<i>RPS6KA2</i>	-0.33
<i>SDK1</i>	-0.33
<i>SLC6A3</i>	-0.33
<i>SMOC2</i>	-0.33
<i>TMEM71</i>	-0.33
<i>ADARB2</i>	-0.34
<i>C14orf64</i>	-0.34
<i>CACNA2D4</i>	-0.34
<i>DACH1</i>	-0.34
<i>DNAH17</i>	-0.34
<i>KRTHA4</i>	-0.34
<i>MOXD2</i>	-0.34
<i>MYH7</i>	-0.34
<i>SNTG2</i>	-0.34
<i>TCERG1L</i>	-0.34
<i>NLRP8</i>	-0.35
<i>TSNARE1</i>	-0.35
<i>CYP11B1</i>	-0.36
<i>KCNQ3</i>	-0.36
<i>LOC150568</i>	-0.36
<i>MYT1L</i>	-0.36
<i>RIMBP2</i>	-0.36
<i>SPRR1A</i>	-0.36
<i>RGS7</i>	-0.37

<i>OPCML</i>	-0.38
<i>WISP1</i>	-0.38
<i>MAPK15</i>	-0.4
<i>COL5A1</i>	-0.41
<i>OPN1LW</i>	-0.41
<i>TMEM132C</i>	-0.41
<i>POM121L12</i>	-0.42
<i>MUC5B</i>	-0.43
<i>SYT3</i>	-0.44
<i>CARD11</i>	-0.46

**Supplementary Table 3 Common elements between (1) reported differentially methylated genes and genes corresponding to CpG in promoter; (2) reported differentially methylated genes and genes corresponding to CpG in body of the gene**

Promoter	Body
<i>AIF1</i>	<i>AGBL4</i>
<i>AKR1B1</i>	<i>AMICA1</i>
<i>ALPL</i>	<i>ARHGEF18</i>
<i>AMPH</i>	<i>ASB18</i>
<i>ARHGAP8</i>	<i>ASTN1</i>
<i>ASNS</i>	<i>ASTN2</i>
<i>BLK</i>	<i>ATP13A5</i>
<i>BPI</i>	<i>C5orf49</i>
<i>BRUNOL6</i>	<i>C6orf223</i>
<i>C10orf27</i>	<i>C8orf73</i>
<i>C12orf42</i>	<i>C8orf85</i>
<i>C1orf59</i>	<i>CACNA2D4</i>
<i>C20orf114</i>	<i>CBR3</i>
<i>C20orf79</i>	<i>CCL7</i>
<i>CALB1</i>	<i>CDA</i>
<i>CBFA2T3</i>	<i>CEACAM5</i>
<i>CCL1</i>	<i>CES8</i>
<i>CD300LF</i>	<i>CLPS</i>
<i>CD40LG</i>	<i>CPA6</i>
<i>CD93</i>	<i>CPXM2</i>
<i>CDH26</i>	<i>CRISPLD1</i>
<i>CDYL</i>	<i>DEFB4</i>
<i>CFTR</i>	<i>DOCK8</i>

<i>CHST14</i>	<i>DPP6</i>
<i>CKM</i>	<i>FBXL7</i>
<i>CLDN8</i>	<i>FGF6</i>
<i>CLEC14A</i>	<i>FLJ43860</i>
<i>CLEC7A</i>	<i>GALR3</i>
<i>CLIP3</i>	<i>GLI2</i>
<i>COL7A1</i>	<i>GRHL3</i>
<i>CPA4</i>	<i>GSTM1</i>
<i>CPEB1</i>	<i>GSTM2</i>
<i>CPO</i>	<i>GSTP1</i>
<i>CR1L</i>	<i>GUCA2A</i>
<i>CRABP1</i>	<i>GYPA</i>
<i>CRCT1</i>	<i>HAPLN4</i>
<i>CRHR2</i>	<i>HCG9</i>
<i>CST11</i>	<i>HCRTR2</i>
<i>CXorf67</i>	<i>HEPACAM</i>
<i>DEGS2</i>	<i>HOXA11AS</i>
<i>DYSF</i>	<i>INS-IGF2</i>
<i>ECE1</i>	<i>ITGAE</i>
<i>EFNB2</i>	<i>JAKMIP3</i>
<i>ELAVL4</i>	<i>KCNK2</i>
<i>EMR3</i>	<i>KCNS1</i>
<i>ENTPD3</i>	<i>KIAA1522</i>
<i>EPHX4</i>	<i>LALBA</i>
<i>ESR1</i>	<i>LELP1</i>
<i>FAM71F1</i>	<i>LIPE</i>
<i>FCRL3</i>	<i>LOC339524</i>
<i>FCRL5</i>	<i>MMEL1</i>
<i>FLG</i>	<i>MYH7</i>

<i>FPR1</i>	<i>NCRNA00085</i>
<i>FUZ</i>	<i>NKPD1</i>
<i>GJA4</i>	<i>NMUR1</i>
<i>GPR142</i>	<i>NOS2</i>
<i>GRHL2</i>	<i>NRXN2</i>
<i>HAS1</i>	<i>OR2F1</i>
<i>HEPACAM2</i>	<i>PBX1</i>
<i>IRAK3</i>	<i>PLAC1L</i>
<i>ISL2</i>	<i>PLVAP</i>
<i>ITM2A</i>	<i>PRKCG</i>
<i>KCNE1</i>	<i>RGS7</i>
<i>KCNIP2</i>	<i>RIMBP2</i>
<i>KCTD1</i>	<i>RUNX1T1</i>
<i>KIR2DL1</i>	<i>SEMA4A</i>
<i>KLK6</i>	<i>SERPINB3</i>
<i>KRT1</i>	<i>SERPINB4</i>
<i>KRT13</i>	<i>SGCD</i>
<i>KRT16</i>	<i>SH3BP2</i>
<i>KRT31</i>	<i>SLC22A18</i>
<i>KRT33A</i>	<i>SLC7A11</i>
<i>KRT6A</i>	<i>SPRYD5</i>
<i>KRT6B</i>	<i>SYNPR</i>
<i>KRT82</i>	<i>THBS2</i>
<i>KRT84</i>	<i>TMEM132C</i>
<i>LCE1E</i>	<i>TNFRSF4</i>
<i>LCE1F</i>	<i>TNNC2</i>
<i>LCN15</i>	<i>UCP1</i>
<i>LGALS3</i>	<i>VSTM2A</i>
<i>LHFPL4</i>	<i>VWA5B1</i>

<i>LMOD1</i>	<i>WNT2B</i>
<i>LOC254312</i>	
<i>LRRC32</i>	
<i>LRRC7</i>	
<i>LTA</i>	
<i>LY6D</i>	
<i>LZTS1</i>	
<i>MAB21L1</i>	
<i>MAGEA5</i>	
<i>MAP4K1</i>	
<i>MARCO</i>	
<i>MC3R</i>	
<i>MRGPRX1</i>	
<i>MSR1</i>	
<i>MST1R</i>	
<i>MYCBPAP</i>	
<i>NEDD4L</i>	
<i>NEUROD6</i>	
<i>NFKBID</i>	
<i>NLRP12</i>	
<i>NMBR</i>	
<i>NOTCH4</i>	
<i>NPBWR2</i>	
<i>OC90</i>	
<i>ODF3</i>	
<i>OR11L1</i>	
<i>OR12D3</i>	
<i>OR2B11</i>	
<i>OR2M5</i>	

<i>OR2M7</i>	
<i>OR2T6</i>	
<i>OR6K6</i>	
<i>OR8B8</i>	
<i>OXCT1</i>	
<i>PCSK1</i>	
<i>PENK</i>	
<i>PHACTR3</i>	
<i>PIF1</i>	
<i>PIK3R5</i>	
<i>PISD</i>	
<i>PPP1R3A</i>	
<i>PRG2</i>	
<i>PROCA1</i>	
<i>PRR5</i>	
<i>PYHIN1</i>	
<i>RASL12</i>	
<i>RBP3</i>	
<i>REXO1L2P</i>	
<i>RIMS2</i>	
<i>S100A3</i>	
<i>SERPINB12</i>	
<i>SGCA</i>	
<i>SLC10A6</i>	
<i>SLC26A4</i>	
<i>SLC39A12</i>	
<i>SLC6A7</i>	
<i>SMCP</i>	
<i>SNAR-C5</i>	

<i>SNX32</i>	
<i>SPANXD</i>	
<i>SPDYA</i>	
<i>SPRR2D</i>	
<i>SPRR2E</i>	
<i>SPRR4</i>	
<i>STK33</i>	
<i>TBX15</i>	
<i>TEKT2</i>	
<i>THY1</i>	
<i>TMEM200A</i>	
<i>TNFRSF10C</i>	
<i>TNFSF15</i>	
<i>TRIM31</i>	
<i>TSPYL3</i>	
<i>TTBK1</i>	
<i>UBL4B</i>	
<i>VSTM1</i>	
<i>WFDC10B</i>	
<i>WNT16</i>	
<i>ZFP82</i>	
<i>ZNF154</i>	
<i>ZNF48</i>	
<i>ZNF781</i>	
<i>ZSCAN23</i>	
<i>ZSCAN4</i>	