

| | 条目 | 建议 |
|------|----|--|
| 标题 | 1 | 尽可能对文章内容提供一个精确和简明的描述。 |
| 摘要 | 2 | 提供一个准确的摘要,包括研究背景、目的,所用动物的种系、关键方法、主要结果和结论。 |
| 前言 | | |
| 背景 | 3 | a.包括充分的科学背景(包括既往研究的相关参考文献),以明确研究动机和背景,并解释实验方案和依据。 b.解释所用动物种类及模型如何和为什么可以被用来达成研究目的。如有可能,解释该研究与人体生物学的相关性。 |
| 目的 | 4 | 清楚地描述研究的主要和次要目的,或者将被验证的具体研究假设。 |
| 方法 | | |
| 伦理声明 | 5 | 伦理评估许可的性质、相关执照[如动物(科学程序)法案1986],与研究相关的国家或机构的动物护理和使用指南。 |
| 研究设计 | 6 | 对于每个实验,给出简明扼要的研究设计细节: a.实验组和对照组的数量 b.旨在减少主观性偏倚影响而采取的任何步骤:实验动物分组(如随机化分组程序),评估结果(如已施盲请描述被施盲对象和时机) c.实验单位(如以单个动物、群组或以一笼动物为单位) 可用时线图或流程图来解释复杂的研究设计是如何实施的。 |
| 实验步骤 | 7 | 对于每个实验和每个实验组(包括对照组),应提供所有已实施步骤准确的详细资料。如: a.何法(药物配方和剂量,给药部位和途径,麻醉镇痛药物的应用和监测,手术步骤,动物安乐死的方法),提供所使用的任何专业设备的详细信息,包括供应商。 b.何时(如时间点)。 c.何处(饲养笼、实验室和水迷宫)。 d.何因(如特定麻醉药、给药途径和药物剂量的选择缘由)。 |
| 实验动物 | 8 | a.提供研究动物的详细资料,包括种类、品系、雌雄、发育阶段(例如年龄均值或中位数及其范围)和体重(均值或中位数及其范围)。 b.提供进一步的相关信息,如动物来源、国际命名、遗传修饰状态(如基因敲除或转基因)、基因型、健康/免疫状况、未使用过药物或未曾用于实验、和先前的实验使用等。 |

本实验未应用动物实验

| | | |
|---------|----|--|
| 饲养场所和饲养 | 9 | a.饲养场所(如设施类型、无特定病原、笼舍类型、垫料、同笼动物数量、饲养鱼类水箱的形状和材料等)。 b.饲养条件(如繁殖计划、光/暗周期、温度、鱼类的水质、饲料的种类、获取水和饲料的途径和环境的丰富度等)。 c.实验前、中和后期动物福利有关的评估和干预。 |
| 样本量 | 10 | a.特别说明实验中使用的动物总数和每个实验组中分配的动物数。 b.解释动物实验所需样本量是如何确定的,并提供样本量计算的详细信息。 c.如适用,标明每个实验的独立重复的数量。 |
| 动物实验分组 | 11 | a.详细描述动物如何分配到各实验组的信息,包括随机化分组或配对分组。 b.描述对各实验组实验动物进行处理和评估的顺序。 |
| 实验结果 | 12 | 明确界定所评估的主要和次要实验测量指标的结果(如细胞死亡、分子标记和行为改变)。 |
| 统计学方法 | 13 | a.提供每种分析所使用统计方法的详细信息。 b.特别说明每个数据集的分析单位(如单个动物、一组动物和单神经元)。 c.描述如何评估数据是否满足统计学方法的假设。 |
| 结果 | | |
| 基线数据 | 14 | 对于每个实验组,报告处理或测试前动物的相关特征和健康状况(如体重、微生物状况和未使用过药物或未曾用于实验)。(这些信息常可用表格形式表示) |
| 数字分析 | 15 | a.报告每一项分析中所包括的每组动物的数量,报告绝对数(如10/20,而不是50%) ² b.对于分析中未纳入的任何动物或数据,需说明原因。 |
| 结果和评估 | 16 | 报告每一项分析的结果及精确度(如标准误或置信区间)。 |
| 不良反应 | 17 | a.给出每个实验组所有重要不良反应详细的信息。 b.描述为减少不良反应而对实验操作规程所作出的修改。 |
| 讨论 | | |
| 诠释/科学内涵 | 18 | a.解释结果时需考虑研究目的、假设、当前的理论和文献中的其他相关的研究。 b.评价研究的局限性,包括可造成偏倚的任何潜在来源,动物模型的局限性以及与结果相关的不精确性 ² 。 c.描述该研究方法或研究发现对于科研中遵循替代、优化或减少动物使用原则(3R原则)的意义。 |
| 概括/转化 | 19 | 评论是否、如何使本研究成果转化到其他物种或系统,包括与人体生物学的相关性。 |
| 基金支持 | 20 | 列出涉及本研究的所有资金来源(包括基金号)和研究资助者的作用。 |

