

Supplementary material 3

**FMT-associated microbiota changes at the genus level in AC1**

<b>Genus</b>	<b>AC1-1511</b>	<b>AC1-1511</b>	<b>p -value</b>	<b>AC1-1511</b>	<b>AC1-1512</b>	<b>p -value</b>
<i>Alistipes</i>	1.185	0.000	0.000	1.185	1.295	0.353
<i>Allisonella</i>	0.142	0.000	0.000	0.142	0.039	0.001
<i>anaerostipes</i>	0.153	0.000	0.000	0.153	0.000	0.000
<i>anaerotruncus</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.030	0.034
<i>Bacteroides</i>	6.759	0.014	0.000	6.759	47.750	0.000
<i>Barnesiella</i>	0.119	0.000	0.000	0.119	0.108	0.762
<i>bidobacterium</i>	0.000	0.058	0.001	0.000	0.000	1.000
<i>Bilophila</i>	0.045	0.000	0.011	0.045	0.103	0.061
<i>Blautia</i>	1.400	0.000	0.000	1.400	0.010	0.000
<i>butyrivibrio</i>	0.108	0.000	0.000	0.108	0.000	0.000
<i>Centipeda</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.231	0.000
<i>Clostridium</i>	0.057	0.231	0.000	0.057	0.000	0.000
<i>Coproccoccus</i>	0.187	0.000	0.000	0.187	0.000	0.000
<i>desulfovibrio</i>	0.011	0.000	0.507	0.011	0.089	0.001
<i>Dialister</i>	0.068	0.000	0.002	0.068	0.025	0.053
<i>elaticlostridium</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Escherichia</i>	0.028	50.821	0.000	0.028	2.846	0.000
<i>ecalibacterium</i>	31.383	0.007	0.000	31.383	0.069	0.000
<i>evonifractum</i>	0.006	0.195	0.000	0.006	0.699	0.000
<i>Gemmiger</i>	10.104	0.000	0.000	10.104	0.325	0.000
<i>Haemophilus</i>	0.011	0.000	0.507	0.011	0.005	0.601
<i>Hungatella</i>	0.006	0.000	1.000	0.006	0.015	0.629
<i>Klebsiella</i>	0.000	26.922	0.000	0.000	2.905	0.000
<i>lactoclostridium</i>	0.011	0.000	0.507	0.011	0.049	0.044
<i>lactobacillus</i>	1.673	0.000	0.000	1.673	0.049	0.000
<i>Megamonas</i>	2.376	0.000	0.000	2.376	0.458	0.000
<i>Odoribacter</i>	0.017	0.000	0.261	0.017	0.074	0.016
<i>Oscillibacter</i>	0.023	0.000	0.136	0.023	0.034	0.560
<i>Parabacteroides</i>	0.079	0.000	0.000	0.079	0.601	0.000
<i>Parasutterella</i>	1.106	0.000	0.000	1.106	0.113	0.000
<i>peritoclostridium</i>	0.000	2.285	0.000	0.000	0.478	0.000
<i>planarctobacter</i>	0.737	0.000	0.000	0.737	2.270	0.000
<i>Roseburia</i>	20.542	0.000	0.000	20.542	0.005	0.000
<i>Rothia</i>	0.000	0.029	0.037	0.000	0.000	1.000
<i>ruminococcus</i>	5.165	0.000	0.000	5.165	0.025	0.000
<i>streptococcus</i>	0.011	2.198	0.000	0.011	0.064	0.009
<i>Weillonella</i>	0.000	4.129	0.000	0.000	35.754	0.000
Unclassified	16.488	13.110	0.000	16.488	3.481	0.000
<b>Genus</b>	<b>AC1-1511</b>	<b>AC1-1601</b>	<b>p -value</b>	<b>AC1-1511</b>	<b>AC1-1512</b>	<b>p -value</b>
<i>Alistipes</i>	1.185	0.036	0.000	0.000	1.295	0.000
<i>Allisonella</i>	0.142	0.000	0.000	0.000	0.039	0.025
<i>anaerostipes</i>	0.153	0.000	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>anaerotruncus</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.030	0.088
<i>Bacteroides</i>	6.759	32.470	0.000	0.014	47.750	0.000
<i>Barnesiella</i>	0.119	0.000	0.000	0.000	0.108	0.000

<i>Idobacteri</i>	0.000	3.292	0.000	0.058	0.000	0.001
<i>Bilophila</i>	0.045	0.012	0.111	0.000	0.103	0.000
<i>Blautia</i>	1.400	0.000	0.000	0.000	0.010	0.518
<i>utyricicocci</i>	0.108	0.000	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>Centipeda</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.231	0.000
<i>Clostridium</i>	0.057	1.153	0.000	0.231	0.000	0.000
<i>Coproccu</i>	0.187	0.000	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>esulfovibri</i>	0.011	0.000	0.500	0.000	0.089	0.000
<i>Dialister</i>	0.068	0.000	0.001	0.000	0.025	0.085
<i>elatoclostr</i>	0.000	0.042	0.006	0.000	0.000	1.000
<i>Escherichia</i>	0.028	1.508	0.000	50.821	2.846	0.000
<i>ecalibacter</i>	31.383	0.000	0.000	0.007	0.069	0.007
<i>avonifracta</i>	0.006	0.294	0.000	0.195	0.699	0.000
<i>Gemmiger</i>	10.104	0.000	0.000	0.000	0.325	0.000
<i>laemophilu</i>	0.011	0.246	0.000	0.000	0.005	1.000
<i>Hungatella</i>	0.006	0.078	0.001	0.000	0.015	0.277
<i>Klebsiella</i>	0.000	0.000	1.000	26.922	2.905	0.000
<i>hnoclostrid</i>	0.011	0.559	0.000	0.000	0.049	0.007
<i>actobacillu</i>	1.673	0.000	0.000	0.000	0.049	0.007
<i>Megamonas</i>	2.376	44.768	0.000	0.000	0.458	0.000
<i>Ddoribacter</i>	0.017	0.000	0.251	0.000	0.074	0.001
<i>Oscillibacte</i>	0.023	0.000	0.126	0.000	0.034	0.047
<i>rabacteroid</i>	0.079	0.150	0.055	0.000	0.601	0.000
<i>arasutterell</i>	1.106	0.607	0.000	0.000	0.113	0.000
<i>otoclostridi</i>	0.000	0.204	0.000	2.285	0.478	0.000
<i>olarctobact</i>	0.737	0.048	0.000	0.000	2.270	0.000
<i>Roseburia</i>	20.542	0.000	0.000	0.000	0.005	1.000
<i>Rothia</i>	0.000	0.060	0.001	0.029	0.000	0.027
<i>uminococci</i>	5.165	0.000	0.000	0.000	0.025	0.085
<i>reptococci</i>	0.011	0.090	0.001	2.198	0.064	0.000
<i>Veillonella</i>	0.000	12.736	0.000	4.129	35.754	0.000
Unclassified	16.488	1.646	0.000	13.110	3.481	0.000
<b>Genus</b>	<b>AC1-1512</b>	<b>AC1-1601</b>	<b>p -value</b>			
<i>Alistipes</i>	1.295	0.036	0.000			
<i>Allisonella</i>	0.039	0.000	0.010			
<i>naerostipe</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>naerotrunc</i>	0.030	0.000	0.036			
<i>Bacteroides</i>	47.750	32.470	0.000			
<i>Barnesiella</i>	0.108	0.000	0.000			
<i>Idobacteri</i>	0.000	3.292	0.000			
<i>Bilophila</i>	0.103	0.012	0.000			
<i>Blautia</i>	0.010	0.000	0.505			
<i>utyricicocci</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>Centipeda</i>	0.231	0.000	0.000			
<i>Clostridium</i>	0.000	1.153	0.000			
<i>Coproccu</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>esulfovibri</i>	0.089	0.000	0.000			
<i>Dialister</i>	0.025	0.000	0.069			

<i>Peelatooclostr</i>	0.000	0.042	0.004
<i>Escherichia</i>	2.846	1.508	0.000
<i>ecalibacter</i>	0.069	0.000	0.000
<i>lavonifract</i>	0.699	0.294	0.000
<i>Gemmiger</i>	0.325	0.000	0.000
<i>laemophilu</i>	0.005	0.246	0.000
<i>Hungatella</i>	0.015	0.078	0.004
<i>Klebsiella</i>	2.905	0.000	0.000
<i>hnoclostrid</i>	0.049	0.559	0.000
<i>actobacillu</i>	0.049	0.000	0.003
<i>Megamonas</i>	0.458	44.768	0.000
<i>Odoribacter</i>	0.074	0.000	0.000
<i>Oscillibacte</i>	0.034	0.000	0.019
<i>rabacteroid</i>	0.601	0.150	0.000
<i>arasutterell</i>	0.113	0.607	0.000
<i>otoclostridi</i>	0.478	0.204	0.000
<i>olarctobact</i>	2.270	0.048	0.000
<i>Roseburia</i>	0.005	0.000	1.000
<i>Rothia</i>	0.000	0.060	0.000
<i>uminococci</i>	0.025	0.000	0.069
<i>treptococci</i>	0.064	0.090	0.448
<i>Veillonella</i>	35.754	12.736	0.000
Unclassified	3.481	1.646	0.000

#### FMT-associated microbiota changes at the genus level in AC2

Genus	AC2-1601	AC2-1601	p -value	AC2-1601	AC2-1602	p -value
<i>Bacillus</i>	0.000	0.052	0.001	0.000	0.034	0.016
<i>idobacteri</i>	1.229	25.789	0.000	1.229	4.450	0.000
<i>Blautia</i>	0.783	0.000	0.000	0.783	0.627	0.120
<i>Clostridium</i>	2.116	0.534	0.000	2.116	12.960	0.000
<i>Eggerthella</i>	0.005	0.149	0.000	0.005	0.008	1.000
<i>nterococci</i>	0.014	0.654	0.000	0.014	0.110	0.000
<i>Escherichia</i>	1.473	18.042	0.000	1.473	22.004	0.000
<i>lavonifract</i>	0.000	0.769	0.000	0.000	3.145	0.000
<i>hnoclostrid</i>	0.418	0.000	0.000	0.418	0.263	0.028
<i>actobacillu</i>	1.196	19.999	0.000	1.196	0.051	0.000
<i>Oscillibacte</i>	0.324	0.000	0.000	0.324	0.008	0.000
<i>otoclostridi</i>	0.929	3.340	0.000	0.929	7.976	0.000
<i>Rothia</i>	0.009	0.115	0.000	0.009	0.008	1.000
<i>uiniclostrid</i>	0.174	0.000	0.000	0.174	0.229	0.296
<i>uminococci</i>	0.206	0.000	0.000	0.206	0.000	0.000
<i>treptococci</i>	0.127	0.597	0.000	0.127	0.085	0.307
<i>Tyzzerella</i>	0.005	0.000	1.000	0.005	2.984	0.000
<i>Veillonella</i>	82.751	18.386	0.000	82.751	33.056	0.000
Unclassified	8.242	11.575	0.000	8.242	12.002	0.000
Genus	AC2-1601	AC2-1602	p -value			
<i>Bacillus</i>	0.052	0.034	0.580			
<i>idobacteri</i>	25.789	4.450	0.000			
<i>Blautia</i>	0.000	0.627	0.000			

<i>Clostridium</i>	0.534	12.960	0.000
<i>Eggerthella</i>	0.149	0.008	0.000
<i>Enterococcus</i>	0.654	0.110	0.000
<i>Escherichia</i>	18.042	22.004	0.000
<i>Lactonifractor</i>	0.769	3.145	0.000
<i>Phoclostridium</i>	0.000	0.263	0.000
<i>Actobacillus</i>	19.999	0.051	0.000
<i>Oscillibacter</i>	0.000	0.008	0.404
<i>Proclostridium</i>	3.340	7.976	0.000
<i>Rothia</i>	0.115	0.008	0.000
<i>Quiniclostridium</i>	0.000	0.229	0.000
<i>Uminococcus</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Streptococcus</i>	0.597	0.085	0.000
<i>Tyzzerella</i>	0.000	2.984	0.000
<i>Weillonella</i>	18.386	33.056	0.000
Unclassified	11.575	12.002	0.267

#### FMT-associated microbiota changes at the genus level in AC3

Genus	AC3-1511	AC3-1511	p -value	AC3-1511	AC3-1511	p -value
<i>Naerostipes</i>	0.000	0.243	0.000	0.000	5.519	0.000
<i>Naerotruncus</i>	0.000	0.235	0.000	0.000	0.914	0.000
<i>Bacillus</i>	0.000	0.012	0.556	0.000	0.063	0.006
<i>Bacteroides</i>	0.000	46.617	0.000	0.000	18.301	0.000
<i>Idobacterium</i>	88.620	0.000	0.000	88.620	0.527	0.000
<i>Blautia</i>	0.000	2.210	0.000	0.000	0.014	0.506
<i>Clostridium</i>	0.000	0.140	0.000	0.000	0.991	0.000
<i>Enterococcus</i>	0.341	0.000	0.000	0.341	0.014	0.000
<i>Helatoclostridium</i>	0.000	0.070	0.003	0.000	2.180	0.000
<i>Escherichia</i>	2.539	4.234	0.000	2.539	8.697	0.000
<i>Cubacterium</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Orritrophicus</i>	0.000	0.008	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Lactonifractor</i>	0.000	1.031	0.000	0.000	8.022	0.000
<i>Hungatella</i>	0.000	14.750	0.000	0.000	3.389	0.000
<i>Klebsiella</i>	0.385	1.167	0.000	0.385	0.042	0.000
<i>Phoclostridium</i>	0.000	3.508	0.000	0.000	8.992	0.000
<i>Megasphaera</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.457	0.000
<i>Proclostridium</i>	0.000	4.081	0.000	0.000	1.919	0.000
<i>Peptococcus</i>	0.000	0.132	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>Robinsoniella</i>	0.000	0.025	0.186	0.000	0.105	0.000
<i>Quiniclostridium</i>	0.000	0.074	0.002	0.000	0.935	0.000
<i>Streptococcus</i>	0.683	0.000	0.000	0.683	0.000	0.000
<i>Weillonella</i>	0.026	0.000	0.033	0.026	3.579	0.000
Unclassified	7.405	21.462	0.000	7.405	35.337	0.000
Genus	AC3-1511	AC3-1601	p -value	AC3-1511	AC3-1511	p -value
<i>Naerostipes</i>	0.000	0.303	0.000	0.243	5.519	0.000
<i>Naerotruncus</i>	0.000	0.231	0.000	0.235	0.914	0.000
<i>Bacillus</i>	0.000	0.036	0.058	0.012	0.063	0.012
<i>Bacteroides</i>	0.000	5.665	0.000	46.617	18.301	0.000
<i>Idobacterium</i>	88.620	1.289	0.000	0.000	0.527	0.000

<i>Blautia</i>	0.000	0.018	0.307	2.210	0.014	0.000
<i>Clostridium</i>	0.000	1.167	0.000	0.140	0.991	0.000
<i>Enterococcus</i>	0.341	0.005	0.000	0.000	0.014	0.137
<i>Helatoclostr</i>	0.000	0.014	0.556	0.070	2.180	0.000
<i>Escherichia</i>	2.539	0.751	0.000	4.234	8.697	0.000
<i>Lubacterium</i>	0.000	0.172	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>Orritrophicu</i>	0.000	0.000	1.000	0.008	0.000	0.534
<i>Lavonifract</i>	0.000	2.785	0.000	1.031	8.022	0.000
<i>Hungatella</i>	0.000	3.676	0.000	14.750	3.389	0.000
<i>Klebsiella</i>	0.385	0.529	0.080	1.167	0.042	0.000
<i>Thnocolostrid</i>	0.000	9.133	0.000	3.508	8.992	0.000
<i>Megasphaera</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.457	0.000
<i>otoclostridi</i>	0.000	4.359	0.000	4.081	1.919	0.000
<i>Peptococcus</i>	0.000	0.000	1.000	0.132	0.000	0.000
<i>Robinsoniella</i>	0.000	0.023	0.174	0.025	0.105	0.002
<i>Quiniclostrid</i>	0.000	0.000	1.000	0.074	0.935	0.000
<i>Streptococcus</i>	0.683	0.000	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>Veillonella</i>	0.026	55.514	0.000	0.000	3.579	0.000
Unclassified	7.405	14.333	0.000	21.462	35.337	0.000

Genus	AC3-1511	AC3-1601	p-value
<i>Aerostipes</i>	5.519	0.303	0.000
<i>Aerotruncus</i>	0.914	0.231	0.000
<i>Bacillus</i>	0.063	0.036	0.320
<i>Bacteroides</i>	18.301	5.665	0.000
<i>Idobacterium</i>	0.527	1.289	0.000
<i>Blautia</i>	0.014	0.018	1.000
<i>Clostridium</i>	0.991	1.167	0.122
<i>Enterococcus</i>	0.014	0.005	0.565
<i>Helatoclostr</i>	2.180	0.014	0.000
<i>Escherichia</i>	8.697	0.751	0.000
<i>Lubacterium</i>	0.000	0.172	0.000
<i>Orritrophicu</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Lavonifract</i>	8.022	2.785	0.000
<i>Hungatella</i>	3.389	3.676	0.156
<i>Klebsiella</i>	0.042	0.529	0.000
<i>Thnocolostrid</i>	8.992	9.133	0.654
<i>Megasphaera</i>	0.457	0.000	0.000
<i>otoclostridi</i>	1.919	4.359	0.000
<i>Peptococcus</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Robinsoniella</i>	0.105	0.023	0.002
<i>Quiniclostrid</i>	0.935	0.000	0.000
<i>Streptococcus</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Veillonella</i>	3.579	55.514	0.000
Unclassified	35.337	14.333	0.000

#### FMT-associated microbiota changes at the genus level in AC4

Genus	AC4-1601	AC4-1512	p-value	AC4-1601	AC4-1601	p-value
<i>Aeromonas</i>	0.023	0.567	0.000	0.023	0.000	0.161
<i>Alistipes</i>	0.128	0.000	0.000	0.128	3.645	0.000

Illoprevotell	6.133	0.000	0.000	6.133	0.036	0.000
Anaerostipes	0.064	0.000	0.000	0.064	0.000	0.005
Anaerotruncus	0.006	0.000	0.499	0.006	0.189	0.000
Bacteroides	32.262	0.000	0.000	32.262	18.764	0.000
Bilophila	0.064	0.000	0.000	0.064	0.207	0.001
Blautia	0.818	0.191	0.000	0.818	0.433	0.000
Butyrivibrio	0.447	0.000	0.000	0.447	0.000	0.000
Butyrivibrio	0.029	0.000	0.031	0.029	0.442	0.000
Clostridium	0.012	0.000	0.249	0.012	0.388	0.000
Coproccoccus	0.749	0.000	0.000	0.749	0.000	0.000
Delatoclostr	0.499	0.035	0.000	0.499	0.126	0.000
Escherichia	0.052	19.814	0.000	0.052	4.069	0.000
Eubacterium	0.116	0.000	0.000	0.116	0.000	0.000
Faecalibacteri	4.271	0.006	0.000	4.271	0.027	0.000
Flavonifract	0.070	18.460	0.000	0.070	11.141	0.000
Gasobacterium	1.393	0.000	0.000	1.393	0.018	0.000
Gemmiger	0.986	0.000	0.000	0.986	0.000	0.000
Holdemanella	0.006	0.000	0.499	0.006	0.370	0.000
Hungatella	0.012	0.000	0.249	0.012	2.589	0.000
Hydroclostrid	0.383	8.874	0.000	0.383	4.998	0.000
Lactobacillus	1.230	0.000	0.000	1.230	0.000	0.000
Morganella	0.000	0.399	0.000	0.000	0.036	0.023
Odoribacter	0.226	0.000	0.000	0.226	0.397	0.013
Oscillibacter	0.099	0.000	0.000	0.099	1.281	0.000
Paenibacillus	0.000	0.185	0.000	0.000	0.000	1.000
Parabacteroid	0.841	0.000	0.000	0.841	2.300	0.000
Paraprevotell	0.499	0.000	0.000	0.499	2.715	0.000
Parasutterell	0.110	0.000	0.000	0.110	0.000	0.000
Peptoclostridi	0.000	10.587	0.000	0.000	0.550	0.000
Polarcobacter	13.183	0.000	0.000	13.183	17.276	0.000
Prevotella	15.545	0.000	0.000	15.545	0.027	0.000
Roseburia	5.031	0.000	0.000	5.031	0.000	0.000
Shimoclostrid	0.389	0.000	0.000	0.389	0.406	0.846
Sphingobacter	1.195	0.000	0.000	1.195	0.000	0.000
Streptococcus	0.099	0.052	0.121	0.099	0.099	1.000
Sutterella	1.253	0.000	0.000	1.253	0.352	0.000
Tyzzerella	0.749	0.075	0.000	0.749	3.744	0.000
Unclassified	11.031	40.756	0.000	11.031	23.374	0.000
Genus	AC4-1512	AC4-1601	p -value			
Aeromonas	0.567	0.000	0.000			
Alistipes	0.000	3.645	0.000			
Illoprevotell	0.000	0.036	0.023			
Anaerostipes	0.000	0.000	1.000			
Anaerotruncus	0.000	0.189	0.000			
Bacteroides	0.000	18.764	0.000			
Bilophila	0.000	0.207	0.000			
Blautia	0.191	0.433	0.000			
Butyrivibrio	0.000	0.000	1.000			

Lutyracimon	0.000	0.442	0.000
Clostridium	0.000	0.388	0.000
Coproccoc	0.000	0.000	1.000
Delatoclostr	0.035	0.126	0.006
Escherichia	19.814	4.069	0.000
Eubacterium	0.000	0.000	1.000
ecalibacteri	0.006	0.027	0.306
lavonifract	18.460	11.141	0.000
usobacteriu	0.000	0.018	0.153
Gemmiger	0.000	0.000	1.000
Holdemania	0.000	0.370	0.000
Hungatella	0.000	2.589	0.000
hnoclostrid	8.874	4.998	0.000
actobacillu	0.000	0.000	1.000
Morganella	0.399	0.036	0.000
Odoribacter	0.000	0.397	0.000
Oscillibacter	0.000	1.281	0.000
oenibacillu	0.185	0.000	0.000
rabacteroid	0.000	2.300	0.000
araprevotel	0.000	2.715	0.000
arasutterell	0.000	0.000	1.000
otoclostridi	10.587	0.550	0.000
olarctobact	0.000	17.276	0.000
Prevotella	0.000	0.027	0.060
Roseburia	0.000	0.000	1.000
iniclostrid	0.000	0.406	0.000
uminococc	0.000	0.000	1.000
treptococcu	0.052	0.099	0.170
Sutterella	0.000	0.352	0.000
Tyzzzerella	0.075	3.744	0.000
Unclassified	40.756	23.374	0.000

#### FMT-associated microbiota changes at the genus level in AC5

Genus	AC5-1511	AC5-1511	p -value	AC5-1511	AC5-1602	p -value
Veillonella	1.011	0.028	0.000	1.011	0.008	0.000
ranulicatel	0.026	0.010	0.315	0.026	0.015	0.533
Actinomyces	0.000	0.000	1.000	0.000	0.046	0.001
treptococcu	2.456	2.191	0.046	2.456	0.023	0.000
Allisonella	0.333	0.000	0.000	0.333	0.000	0.000
lavonifract	4.000	0.000	0.000	4.000	21.111	0.000
idobacteriu	15.714	13.901	0.000	15.714	0.031	0.000
hnoclostrid	0.000	0.000	1.000	0.000	26.173	0.000
Alistipes	0.000	0.000	1.000	0.000	21.507	0.000
Delatoclostr	4.102	0.000	0.000	4.102	3.804	0.091
Tyzzzerella	0.000	0.000	1.000	0.000	2.820	0.000
Gemella	0.072	0.000	0.000	0.072	0.004	0.000
nterococcu	0.243	0.000	0.000	0.243	0.008	0.000
Eggerthella	0.038	0.000	0.001	0.038	0.000	0.001
Clostridium	3.471	0.000	0.000	3.471	2.812	0.000

<i>actobacillus</i>	6.217	0.684	0.000	6.217	0.046	0.000
<i>naerostipes</i>	0.942	0.000	0.000	0.942	0.181	0.000
<i>Rothia</i>	0.026	0.161	0.000	0.026	0.000	0.011
<i>Escherichia</i>	44.612	0.000	0.000	44.612	20.434	0.000
<i>Blautia</i>	0.213	0.000	0.000	0.213	0.323	0.019
<i>Klebsiella</i>	1.185	83.025	0.000	1.185	0.000	0.000
<i>Lubacterium</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.092	0.000
<i>ysgonomon</i>	0.166	0.000	0.000	0.166	0.000	0.000
Unclassified	15.172	0.000	0.000	15.172	0.562	0.000
<b>Genus</b>	<b>AC5-1511</b>	<b>AC5-1602</b>	<b>p -value</b>			
<i>Veillonella</i>	0.028	0.008	0.114			
<i>ranulicatel</i>	0.010	0.015	0.715			
<i>Actinomyces</i>	0.000	0.046	0.000			
<i>Streptococcus</i>	2.191	0.023	0.000			
<i>Allisonella</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>avonifract</i>	0.000	21.111	0.000			
<i>idobacteri</i>	13.901	0.031	0.000			
<i>hnoclostrid</i>	0.000	26.173	0.000			
<i>Alistipes</i>	0.000	21.507	0.000			
<i>elatoclostr</i>	0.000	3.804	0.000			
<i>Tyzzerella</i>	0.000	2.820	0.000			
<i>Gemella</i>	0.000	0.004	0.476			
<i>nterococcus</i>	0.000	0.008	0.226			
<i>Eggerthella</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>Clostridium</i>	0.000	2.812	0.000			
<i>actobacillus</i>	0.684	0.046	0.000			
<i>naerostipes</i>	0.000	0.181	0.000			
<i>Rothia</i>	0.161	0.000	0.000			
<i>Escherichia</i>	0.000	20.434	0.000			
<i>Blautia</i>	0.000	0.323	0.000			
<i>Klebsiella</i>	83.025	0.000	0.000			
<i>Lubacterium</i>	0.000	0.092	0.000			
<i>ysgonomon</i>	0.000	0.000	1.000			
Unclassified	0.000	0.562	0.000			

**FMT-associated microbiota changes at the genus level in AC6**

<b>Genus</b>	<b>AC6-1512</b>	<b>AC6-1512</b>	<b>p -value</b>	<b>AC6-1512</b>	<b>AC6-1602</b>	<b>p -value</b>
<i>kkermansia</i>	0.040	0.000	0.007	0.040	0.000	0.007
<i>Alistipes</i>	1.705	0.000	0.000	1.705	0.029	0.000
<i>naerostipes</i>	0.201	0.000	0.000	0.201	0.000	0.000
<i>naerotrunc</i>	0.281	0.000	0.000	0.281	0.059	0.000
<i>Bacteroides</i>	12.191	0.204	0.000	12.191	11.560	0.050
<i>idobacteri</i>	0.261	41.143	0.000	0.261	4.171	0.000
<i>Bilophila</i>	0.309	0.000	0.000	0.309	0.082	0.000
<i>Blautia</i>	0.570	0.006	0.000	0.570	0.018	0.000
<i>utyricoccc</i>	0.100	0.000	0.000	0.100	0.000	0.000
<i>Clostridium</i>	0.000	8.890	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>Dialister</i>	3.177	0.000	0.000	3.177	0.000	0.000
<i>nterococcus</i>	0.000	0.287	0.000	0.000	0.000	1.000



<i>Escherichia</i>	0.008	0.794	0.000	0.008	1.626	0.000
<i>Cubacterium</i>	0.317	0.000	0.000	0.317	0.000	0.000
<i>ecalibacter</i>	3.470	0.022	0.000	3.470	0.000	0.000
<i>lavonifract</i>	0.156	11.480	0.000	0.156	0.837	0.000
<i>usobacteriu</i>	0.000	0.121	0.000	0.000	0.006	0.407
<i>Gemmiger</i>	0.413	0.000	0.000	0.413	0.006	0.000
<i>taemophilu</i>	0.020	0.000	0.078	0.020	0.012	0.708
<i>Hungatella</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.462	0.000
<i>hnoclostrid</i>	0.076	0.006	0.000	0.076	1.053	0.000
<i>actobacillu</i>	0.092	0.931	0.000	0.092	0.410	0.000
<i>legasphaer</i>	8.388	0.000	0.000	8.388	73.295	0.000
<i>Odoribacter</i>	0.606	0.000	0.000	0.606	0.018	0.000
<i>Oscillibacte</i>	1.488	0.006	0.000	1.488	0.328	0.000
<i>rabacteroid</i>	1.344	0.022	0.000	1.344	1.854	0.000
<i>arasutterell</i>	0.104	0.000	0.000	0.104	0.000	0.000
<i>otoclostridi</i>	0.000	1.301	0.000	0.000	0.392	0.000
<i>olarctobact</i>	0.004	0.116	0.000	0.004	0.000	1.000
<i>Prevotella</i>	47.497	0.088	0.000	47.497	0.047	0.000
<i>Proteus</i>	0.000	0.198	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>Providencia</i>	0.000	0.287	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>ramidobact</i>	0.321	0.000	0.000	0.321	0.000	0.000
<i>Roseburia</i>	1.897	0.017	0.000	1.897	0.000	0.000
<i>uiniclostrid</i>	0.088	0.551	0.000	0.088	0.053	0.205
<i>uminococci</i>	0.710	0.006	0.000	0.710	0.000	0.000
<i>treptococci</i>	0.000	0.154	0.000	0.000	0.018	0.067
<i>Sutterella</i>	1.392	0.000	0.000	1.392	0.111	0.000
<i>Tyzzerella</i>	0.108	0.000	0.000	0.108	0.000	0.000
<i>Veillonella</i>	0.024	6.355	0.000	0.024	0.135	0.000
Unclassified	12.640	27.017	0.000	12.640	3.422	0.000
<b>Genus</b>	<b>AC6-1512</b>	<b>AC6-1602</b>	<b>p -value</b>			
<i>kkermansia</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>Alistipes</i>	0.000	0.029	0.027			
<i>naerostipe</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>naerotrunc</i>	0.000	0.059	0.001			
<i>Bacteroides</i>	0.204	11.560	0.000			
<i>idobacteri</i>	41.143	4.171	0.000			
<i>Bilophila</i>	0.000	0.082	0.000			
<i>Blautia</i>	0.006	0.018	0.361			
<i>utyricicocci</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>Clostridium</i>	8.890	0.000	0.000			
<i>Dialister</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>nterococci</i>	0.287	0.000	0.000			
<i>Escherichia</i>	0.794	1.626	0.000			
<i>Cubacterium</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>ecalibacter</i>	0.022	0.000	0.126			
<i>lavonifract</i>	11.480	0.837	0.000			
<i>usobacteriu</i>	0.121	0.006	0.000			
<i>Gemmiger</i>	0.000	0.006	0.485			

<i>Laemophilus</i>	0.000	0.012	0.235
<i>Hungatella</i>	0.000	0.462	0.000
<i>Clostridia</i>	0.006	1.053	0.000
<i>Lactobacillus</i>	0.931	0.410	0.000
<i>Megasphaera</i>	0.000	73.295	0.000
<i>Odoribacter</i>	0.000	0.018	0.114
<i>Oscillibacter</i>	0.006	0.328	0.000
<i>Parabacteroides</i>	0.022	1.854	0.000
<i>Parasutterella</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Peptoclostridium</i>	1.301	0.392	0.000
<i>Polarctobacterium</i>	0.116	0.000	0.000
<i>Prevotella</i>	0.088	0.047	0.156
<i>Proteus</i>	0.198	0.000	0.000
<i>Providencia</i>	0.287	0.000	0.000
<i>Ramifiedobacterium</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Roseburia</i>	0.017	0.000	0.251
<i>Subdoligranulum</i>	0.551	0.053	0.000
<i>Thermococcus</i>	0.006	0.000	1.000
<i>Streptococcus</i>	0.154	0.018	0.000
<i>Sutterella</i>	0.000	0.111	0.000
<i>Tyzzerella</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Veillonella</i>	6.355	0.135	0.000
Unclassified	27.017	3.422	0.000

#### FMT-associated microbiota changes at the genus level in AC7

Genus	AC7-1511	AC7-1511	p -value	AC7-1511	AC7-1511	p -value
<i>Polarctobacterium</i>	0.223	0.000	0.000	0.223	0.000	0.000
<i>Parabacteroides</i>	0.044	0.000	0.001	0.044	0.000	0.001
<i>Pyrobacter</i>	0.008	0.100	0.000	0.008	0.012	0.687
<i>Brochothrix</i>	0.024	0.080	0.006	0.024	0.016	0.754
<i>Laemophilus</i>	3.190	0.000	0.000	3.190	0.000	0.000
<i>Calibacter</i>	8.565	0.000	0.000	8.565	0.000	0.000
<i>Dorea</i>	0.088	0.000	0.000	0.088	0.000	0.000
<i>Corynebacterium</i>	0.000	0.008	0.248	0.000	0.000	1.000
<i>Streptococcus</i>	0.076	0.149	0.016	0.076	0.140	0.030
<i>Oscillibacter</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Flavonifractor</i>	0.004	1.197	0.000	0.004	0.336	0.000
<i>Hydrobacterium</i>	0.008	0.000	0.500	0.008	0.000	0.500
<i>Aerotruncus</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Peptoclostridium</i>	0.000	0.112	0.000	0.000	0.524	0.000
<i>Clostridia</i>	0.024	12.885	0.000	0.024	1.661	0.000
<i>Alistipes</i>	0.008	0.000	0.500	0.008	0.000	0.500
<i>Lactococcus</i>	0.147	0.542	0.000	0.147	0.120	0.464
<i>Peptoclostridium</i>	0.131	0.000	0.000	0.131	0.000	0.000
<i>Collinsella</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Tyzzerella</i>	0.000	0.036	0.002	0.000	0.000	1.000
<i>Enterococcus</i>	0.000	0.141	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>Clostridium</i>	0.004	70.272	0.000	0.004	78.052	0.000
<i>Lactobacillus</i>	16.047	0.000	0.000	16.047	0.000	0.000

<i>Bacillus</i>	0.354	1.165	0.000	0.354	0.300	0.310
<i>naerostipe</i>	0.000	0.129	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>cinetobacte</i>	0.211	0.751	0.000	0.211	0.128	0.029
<i>arasutterell</i>	0.211	0.000	0.000	0.211	0.000	0.000
<i>Escherichia</i>	0.430	0.016	0.000	0.430	0.004	0.000
<i>Odoribacter</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>usobacteriu</i>	0.008	0.000	0.500	0.008	0.000	0.500
<i>Blautia</i>	1.071	0.028	0.000	1.071	0.004	0.000
<i>seudomona</i>	0.020	0.040	0.208	0.020	0.008	0.453
<i>Klebsiella</i>	0.438	5.641	0.000	0.438	17.290	0.000
<i>Bacteroides</i>	56.126	0.000	0.000	56.126	0.000	0.000
Unclassified	12.472	6.706	0.000	12.472	1.405	0.000
<i>Coprococcus</i>	0.068	0.000	0.000	0.068	0.000	0.000
<b>Genus</b>	<b>AC7-1511</b>	<b>AC7-1512</b>	<b>p -value</b>	<b>AC7-1511</b>	<b>AC7-1511</b>	<b>p -value</b>
<i>olarctobact</i>	0.223	0.215	0.923	0.000	0.000	1.000
<i>rabacteroid</i>	0.044	0.587	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>yseobacter</i>	0.008	0.004	1.000	0.100	0.012	0.000
<i>Brochothrix</i>	0.024	0.034	0.599	0.080	0.016	0.001
<i>laemophilu</i>	3.190	0.000	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>calibacteri</i>	8.565	0.000	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>Dorea</i>	0.088	0.000	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>rynebacteri</i>	0.000	0.000	1.000	0.008	0.000	0.249
<i>treptococcu</i>	0.076	0.262	0.000	0.149	0.140	0.815
<i>pscillibacte</i>	0.000	0.536	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>lavonifract</i>	0.004	0.118	0.000	1.197	0.336	0.000
<i>idobacteriu</i>	0.008	12.469	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>naerotrunca</i>	0.000	0.114	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>otoclostridi</i>	0.000	0.000	1.000	0.112	0.524	0.000
<i>hnoclostrid</i>	0.024	5.343	0.000	12.885	1.661	0.000
<i>Alistipes</i>	0.008	0.055	0.003	0.000	0.000	1.000
<i>actococcus</i>	0.147	0.169	0.570	0.542	0.120	0.000
<i>elatoclostr</i>	0.131	0.000	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>Collinsella</i>	0.000	0.030	0.006	0.000	0.000	1.000
<i>Tyzzerella</i>	0.000	0.363	0.000	0.036	0.000	0.002
<i>nterococcu</i>	0.000	0.000	1.000	0.141	0.000	0.000
<i>Clostridium</i>	0.004	0.000	1.000	70.272	78.052	0.000
<i>actobacillu</i>	16.047	0.000	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>Bacillus</i>	0.354	0.435	0.169	1.165	0.300	0.000
<i>naerostipe</i>	0.000	0.038	0.001	0.129	0.000	0.000
<i>cinetobacte</i>	0.211	0.177	0.413	0.751	0.128	0.000
<i>arasutterell</i>	0.211	0.000	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>Escherichia</i>	0.430	0.617	0.005	0.016	0.004	0.218
<i>Odoribacter</i>	0.000	0.182	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>usobacteriu</i>	0.008	0.000	0.500	0.000	0.000	1.000
<i>Blautia</i>	1.071	0.279	0.000	0.028	0.004	0.039
<i>seudomona</i>	0.020	0.089	0.001	0.040	0.008	0.022
<i>Klebsiella</i>	0.438	0.000	0.000	5.641	17.290	0.000
<i>Bacteroides</i>	56.126	76.612	0.000	0.000	0.000	1.000

Unclassified	12.472	1.271	0.000	6.706	1.405	0.000
Coproccoccus	0.068	0.000	0.000	0.000	0.000	1.000
<b>Genus</b>	<b>AC7-1511</b>	<b>AC7-1512</b>	<b>p -value</b>			
Polarctobacter	0.000	0.215	0.000			
Parabacteroides	0.000	0.587	0.000			
Pyseobacter	0.012	0.004	0.626			
Brochothrix	0.016	0.034	0.256			
Haemophilus	0.000	0.000	1.000			
Calibacter	0.000	0.000	1.000			
Dorea	0.000	0.000	1.000			
Cynebacterium	0.000	0.000	1.000			
Streptococcus	0.140	0.262	0.003			
Oscillibacter	0.000	0.536	0.000			
Avonifractor	0.336	0.118	0.000			
Idobacterium	0.000	12.469	0.000			
Aerotruncus	0.000	0.114	0.000			
Butyrivibrio	0.524	0.000	0.000			
Thioclostridium	1.661	5.343	0.000			
Alistipes	0.000	0.055	0.000			
Lactococcus	0.120	0.169	0.188			
Helatoclostridium	0.000	0.000	1.000			
Collinsella	0.000	0.030	0.006			
Tyzzerella	0.000	0.363	0.000			
Enterococcus	0.000	0.000	1.000			
Clostridium	78.052	0.000	0.000			
Lactobacillus	0.000	0.000	1.000			
Bacillus	0.300	0.435	0.016			
Aerostipes	0.000	0.038	0.002			
Cinetobacter	0.128	0.177	0.165			
Parasutterella	0.000	0.000	1.000			
Escherichia	0.004	0.617	0.000			
Odoribacter	0.000	0.182	0.000			
Asobacterium	0.000	0.000	1.000			
Blautia	0.004	0.279	0.000			
Pseudomonas	0.008	0.089	0.000			
Klebsiella	17.290	0.000	0.000			
Bacteroides	0.000	76.612	0.000			
Unclassified	1.405	1.271	0.207			
Coproccoccus	0.000	0.000	1.000			

#### FMT-associated microbiota changes at the genus level in AC8

Genus	AC8-1512	AC8-1512	p -value	AC8-1512	AC8-1602	p -value
Polarctobacter	0.000	0.000	1.000	0.000	0.515	0.000
Parabacteroides	0.105	0.000	0.000	0.105	10.922	0.000
Megasphaera	0.023	0.000	0.031	0.023	2.659	0.000
Veillonella	5.838	23.936	0.000	5.838	0.008	0.000
Scardovia	0.000	0.119	0.000	0.000	0.000	1.000
Roseburia	0.872	0.000	0.000	0.872	0.000	0.000
Haemophilus	0.430	0.123	0.000	0.430	0.000	0.000

<i>ecalibacter</i>	35.146	0.000	0.000	35.146	4.446	0.000
<i>treptococcu</i>	0.004	5.479	0.000	0.004	0.020	0.121
<i>lavonifract</i>	0.341	0.000	0.000	0.341	0.892	0.000
<i>idobacteri</i>	0.089	0.495	0.000	0.089	0.063	0.338
<i>naerotrunca</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.012	0.121
<i>hnoclostrid</i>	2.206	0.000	0.000	2.206	2.540	0.013
<i>elatoclostr</i>	0.209	0.000	0.000	0.209	3.063	0.000
<i>Bilophila</i>	0.019	0.000	0.063	0.019	0.059	0.025
<i>Tyzzerella</i>	0.550	0.000	0.000	0.550	0.000	0.000
<i>Gemella</i>	0.000	0.044	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>nterococcu</i>	0.000	0.055	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>Clostridium</i>	4.039	28.714	0.000	4.039	0.012	0.000
<i>actobacillu</i>	0.058	0.321	0.000	0.058	0.880	0.000
<i>naerostipe</i>	0.209	0.000	0.000	0.209	0.000	0.000
<i>Rothia</i>	0.004	2.119	0.000	0.004	0.004	1.000
<i>Escherichia</i>	20.044	0.642	0.000	20.044	8.049	0.000
<i>Atopobium</i>	0.004	0.479	0.000	0.004	0.004	1.000
<i>iniclostrid</i>	0.085	0.000	0.000	0.085	0.032	0.016
<i>usobacteriu</i>	0.004	0.186	0.000	0.004	0.000	1.000
<i>Blautia</i>	0.713	0.000	0.000	0.713	0.048	0.000
<i>Hungatella</i>	0.027	0.000	0.016	0.027	1.831	0.000
<i>Bacteroides</i>	0.419	0.000	0.000	0.419	47.717	0.000
<i>Dialister</i>	1.415	0.000	0.000	1.415	0.059	0.000
<i>utyricicocci</i>	0.279	0.000	0.000	0.279	0.000	0.000
Unclassified	26.816	37.192	0.000	26.816	16.161	0.000
<i>uricibacter</i>	0.050	0.000	0.000	0.050	0.000	0.000
<i>aphylococc</i>	0.000	0.095	0.000	0.000	0.004	0.495
<b>Genus</b>	<b>AC8-1512</b>	<b>AC8-1602</b>	<b>p-value</b>			
<i>olarctobact</i>	0.000	0.515	0.000			
<i>rabacteroid</i>	0.000	10.922	0.000			
<i>Megasphaer</i>	0.000	2.659	0.000			
<i>Veillonella</i>	23.936	0.008	0.000			
<i>Scardovia</i>	0.119	0.000	0.000			
<i>Roseburia</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>Laemophilu</i>	0.123	0.000	0.000			
<i>ecalibacter</i>	0.000	4.446	0.000			
<i>treptococcu</i>	5.479	0.020	0.000			
<i>lavonifract</i>	0.000	0.892	0.000			
<i>idobacteri</i>	0.495	0.063	0.000			
<i>naerotrunca</i>	0.000	0.012	0.125			
<i>hnoclostrid</i>	0.000	2.540	0.000			
<i>elatoclostr</i>	0.000	3.063	0.000			
<i>Bilophila</i>	0.000	0.059	0.000			
<i>Tyzzerella</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>Gemella</i>	0.044	0.000	0.001			
<i>nterococcu</i>	0.055	0.000	0.000			
<i>Clostridium</i>	28.714	0.012	0.000			
<i>actobacillu</i>	0.321	0.880	0.000			

<i>naerostipe</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Rothia</i>	2.119	0.004	0.000
<i>Escherichia</i>	0.642	8.049	0.000
<i>Atopobium</i>	0.479	0.004	0.000
<i>uniclostrid</i>	0.000	0.032	0.004
<i>usobacteriu</i>	0.186	0.000	0.000
<i>Blautia</i>	0.000	0.048	0.000
<i>Hungatella</i>	0.000	1.831	0.000
<i>Bacteroides</i>	0.000	47.717	0.000
<i>Dialister</i>	0.000	0.059	0.000
<i>utyricicocci</i>	0.000	0.000	1.000
Unclassified	37.192	16.161	0.000
<i>Luricibacter</i>	0.000	0.000	1.000
<i>aphylococci</i>	0.095	0.004	0.000

#### FMT-associated microbiota changes at the genus level in AC9

Genus	AC9-1509	AC9-1509	p -value	AC9-1509	AC9-1509	p -value
Unclassified	28.503	0.660	0.000	28.503	3.583	0.000
<i>naerostipe</i>	0.000	0.201	0.000	0.000	0.041	0.004
<i>olarctobact</i>	0.964	0.000	0.000	0.964	0.000	0.000
<i>ahydrobact</i>	0.034	0.004	0.026	0.034	0.036	1.000
<i>Oscillibacte</i>	0.394	0.000	0.000	0.394	0.000	0.000
<i>Gemmiger</i>	1.646	0.000	0.000	1.646	0.000	0.000
<i>Eggerthella</i>	0.000	0.020	0.069	0.000	0.014	0.251
<i>kkermansia</i>	0.000	1.217	0.000	0.000	0.018	0.126
<i>Bilophila</i>	0.102	0.000	0.000	0.102	0.000	0.000
<i>rabacteroid</i>	0.852	4.791	0.000	0.852	5.272	0.000
<i>aminococci</i>	2.581	0.000	0.000	2.581	0.000	0.000
<i>Roseburia</i>	10.780	0.000	0.000	10.780	0.258	0.000
<i>lavinifract</i>	0.458	0.118	0.000	0.458	0.181	0.000
<i>treptococci</i>	0.151	0.383	0.000	0.151	0.131	0.607
<i>cinetobacte</i>	0.390	0.517	0.044	0.390	0.485	0.143
<i>seudomona</i>	0.170	0.122	0.215	0.170	0.122	0.205
<i>Bacillus</i>	0.696	0.774	0.352	0.696	0.924	0.010
<i>arasutterell</i>	0.015	1.165	0.000	0.015	3.039	0.000
<i>Neisseria</i>	0.000	0.008	0.505	0.000	0.000	1.000
<i>idobacteri</i>	0.258	0.126	0.001	0.258	0.000	0.000
<i>Tyzzerella</i>	0.565	0.000	0.000	0.565	0.000	0.000
<i>Odoribacte</i>	0.122	0.000	0.000	0.122	0.000	0.000
<i>Escherichia</i>	0.487	0.087	0.000	0.487	1.010	0.000
<i>nterococci</i>	0.015	0.012	1.000	0.015	0.018	1.000
<i>egasphaer</i>	0.000	0.411	0.000	0.000	0.285	0.000
<i>otoclostridi</i>	0.000	1.047	0.000	0.000	0.879	0.000
<i>actobacillu</i>	2.167	0.000	0.000	2.167	0.000	0.000
<i>Veillonella</i>	0.034	10.120	0.000	0.034	7.170	0.000
<i>Blautia</i>	0.156	0.036	0.000	0.156	0.394	0.000
<i>actococcus</i>	0.316	0.249	0.182	0.316	0.331	0.865
<i>Dialister</i>	0.000	0.008	0.505	0.000	0.023	0.063
<i>Sutterella</i>	1.655	0.000	0.000	1.655	0.000	0.000

<i>Cubacterium</i>	0.521	0.000	0.000	0.521	0.000	0.000
<i>Cycticimonia</i>	0.068	0.000	0.000	0.068	0.000	0.000
<i>Abiotrophia</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Bacteroides</i>	18.234	72.635	0.000	18.234	70.346	0.000
<i>Alistipes</i>	2.060	0.000	0.000	2.060	0.000	0.000
<i>Granulicatella</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Klebsiella</i>	1.256	1.521	0.017	1.256	0.208	0.000
<i>Megamonas</i>	3.759	0.000	0.000	3.759	0.000	0.000
<i>Coproccoccus</i>	1.344	0.000	0.000	1.344	0.000	0.000
<i>Thnocostridium</i>	0.049	3.006	0.000	0.049	4.104	0.000
<i>Calibacter</i>	18.936	0.000	0.000	18.936	0.009	0.000
<i>Clostridium</i>	0.000	0.217	0.000	0.000	0.222	0.000
<i>Allisonella</i>	0.063	0.000	0.000	0.063	0.000	0.000
<i>Quiniclostridium</i>	0.058	0.000	0.000	0.058	0.018	0.043
<i>Thaemophilus</i>	0.005	0.047	0.009	0.005	0.023	0.221
<i>Isobacterium</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Delatoclostridium</i>	0.112	0.032	0.002	0.112	0.059	0.067
<i>Hungatella</i>	0.024	0.466	0.000	0.024	0.797	0.000
<b>Genus</b>	<b>AC9-1509</b>	<b>AC9-1509</b>	<b>p -value</b>	<b>AC9-1509</b>	<b>AC9-1512</b>	<b>p -value</b>
<i>Unclassified</i>	28.503	10.126	0.000	28.503	2.231	0.000
<i>Naerostipes</i>	0.000	1.176	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>Polartobacter</i>	0.964	2.143	0.000	0.964	0.000	0.000
<i>Hydrobacter</i>	0.034	0.056	0.361	0.034	0.026	0.783
<i>Oscillibacter</i>	0.394	0.000	0.000	0.394	0.000	0.000
<i>Gemmiger</i>	1.646	0.023	0.000	1.646	0.000	0.000
<i>Eggerthella</i>	0.000	0.014	0.250	0.000	0.000	1.000
<i>Thkermansia</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Bilophila</i>	0.102	0.000	0.000	0.102	0.000	0.000
<i>Parabacteroides</i>	0.852	1.788	0.000	0.852	0.390	0.000
<i>Uminococcus</i>	2.581	0.000	0.000	2.581	0.000	0.000
<i>Roseburia</i>	10.780	0.107	0.000	10.780	0.000	0.000
<i>Avonifractor</i>	0.458	0.187	0.000	0.458	0.000	0.000
<i>Streptococcus</i>	0.151	0.056	0.003	0.151	20.577	0.000
<i>Cinetobacter</i>	0.390	0.626	0.001	0.390	0.462	0.272
<i>Pseudomonas</i>	0.170	0.182	0.817	0.170	0.197	0.578
<i>Bacillus</i>	0.696	1.359	0.000	0.696	0.886	0.027
<i>Parasutterella</i>	0.015	1.489	0.000	0.015	9.240	0.000
<i>Neisseria</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	1.062	0.000
<i>Idobacterium</i>	0.258	0.023	0.000	0.258	14.339	0.000
<i>Tyzzerella</i>	0.565	0.980	0.000	0.565	0.000	0.000
<i>Odoribacter</i>	0.122	0.121	1.000	0.122	0.000	0.000
<i>Escherichia</i>	0.487	0.672	0.015	0.487	4.025	0.000
<i>Enterococcus</i>	0.015	0.037	0.228	0.015	2.989	0.000
<i>Megasphaera</i>	0.000	0.005	1.000	0.000	0.056	0.000
<i>Optoclostridium</i>	0.000	0.719	0.000	0.000	0.000	1.000
<i>Actobacillus</i>	2.167	0.000	0.000	2.167	0.000	0.000
<i>Veillonella</i>	0.034	0.070	0.136	0.034	17.584	0.000
<i>Blautia</i>	0.156	0.341	0.000	0.156	0.000	0.000

<i>Lactococcus</i>	0.316	0.462	0.019	0.316	0.394	0.200
<i>Dialister</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Sutterella</i>	1.655	0.000	0.000	1.655	0.000	0.000
<i>Cubacterium</i>	0.521	0.000	0.000	0.521	0.000	0.000
<i>Butyrivibrio</i>	0.068	0.000	0.000	0.068	0.000	0.000
<i>Abiotrophia</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.056	0.000
<i>Bacteroides</i>	18.234	70.168	0.000	18.234	2.719	0.000
<i>Alistipes</i>	2.060	0.000	0.000	2.060	0.000	0.000
<i>Granulicatella</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.094	0.000
<i>Klebsiella</i>	1.256	0.023	0.000	1.256	9.278	0.000
<i>Megamonas</i>	3.759	0.000	0.000	3.759	0.000	0.000
<i>Coproccoccus</i>	1.344	0.000	0.000	1.344	0.000	0.000
<i>Thermoclostridium</i>	0.049	2.610	0.000	0.049	0.017	0.105
<i>Calibacterium</i>	18.936	3.212	0.000	18.936	0.377	0.000
<i>Clostridium</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	4.633	0.000
<i>Allisonella</i>	0.063	0.000	0.000	0.063	0.000	0.000
<i>Winiclostridium</i>	0.058	0.075	0.574	0.058	0.103	0.132
<i>Haemophilus</i>	0.005	0.000	0.490	0.005	8.242	0.000
<i>Desulfohalobium</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.021	0.065
<i>Dehalococcoides</i>	0.112	0.107	1.000	0.112	0.000	0.000
<i>Hungatella</i>	0.024	1.041	0.000	0.024	0.004	0.105
<b>Genus</b>	<b>AC9-1509</b>	<b>AC9-1509</b>	<b>p -value</b>	<b>AC9-1509</b>	<b>AC9-1509</b>	<b>p -value</b>
Unclassified	0.660	3.583	0.000	3.583	10.126	0.000
<i>Naerostipes</i>	0.201	0.041	0.000	0.041	1.176	0.000
<i>Polaribacterium</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	2.143	0.000
<i>Hydrobacterium</i>	0.004	0.036	0.015	0.036	0.056	0.377
<i>Oscillibacter</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Gemmiger</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.023	0.029
<i>Eggerthella</i>	0.020	0.014	0.732	0.014	0.014	1.000
<i>Stakkermansia</i>	1.217	0.018	0.000	0.018	0.000	0.125
<i>Bilophila</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Parabacteroides</i>	4.791	5.272	0.017	5.272	1.788	0.000
<i>Thermotoga</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Roseburia</i>	0.000	0.258	0.000	0.258	0.107	0.000
<i>Avonifractor</i>	0.118	0.181	0.093	0.181	0.187	0.911
<i>Streptococcus</i>	0.383	0.131	0.000	0.131	0.056	0.012
<i>Cinetobacter</i>	0.517	0.485	0.649	0.485	0.626	0.052
<i>Pseudomonas</i>	0.122	0.122	1.000	0.122	0.182	0.111
<i>Bacillus</i>	0.774	0.924	0.078	0.924	1.359	0.000
<i>Parasutterella</i>	1.165	3.039	0.000	3.039	1.489	0.000
<i>Neisseria</i>	0.008	0.000	0.502	0.000	0.000	1.000
<i>Idobacterium</i>	0.126	0.000	0.000	0.000	0.023	0.029
<i>Tyzzerella</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.980	0.000
<i>Odoribacter</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.121	0.000
<i>Escherichia</i>	0.087	1.010	0.000	1.010	0.672	0.000
<i>Enterococcus</i>	0.012	0.018	0.712	0.018	0.037	0.260
<i>Megasphaera</i>	0.411	0.285	0.024	0.285	0.005	0.000
<i>Thermoclostridium</i>	1.047	0.879	0.067	0.879	0.719	0.067



<i>actobacillus</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Veillonella</i>	10.120	7.170	0.000	7.170	0.070	0.000
<i>Blautia</i>	0.036	0.394	0.000	0.394	0.341	0.384
<i>actococcus</i>	0.249	0.331	0.102	0.331	0.462	0.032
<i>Dialister</i>	0.008	0.023	0.263	0.023	0.000	0.063
<i>Sutterella</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Lubacterium</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>utyricimonia</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Abiotrophia</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Bacteroides</i>	72.635	70.346	0.000	70.346	70.168	0.690
<i>Alistipes</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>granulicatella</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Klebsiella</i>	1.521	0.208	0.000	0.208	0.023	0.000
<i>Megamonas</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Coproccoccus</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>thnoclostridium</i>	3.006	4.104	0.000	4.104	2.610	0.000
<i>ecalibacterium</i>	0.000	0.009	0.217	0.009	3.212	0.000
<i>Clostridium</i>	0.217	0.222	0.922	0.222	0.000	0.000
<i>Allisonella</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>uiniclostridium</i>	0.000	0.018	0.047	0.018	0.075	0.006
<i>taemophilum</i>	0.047	0.023	0.224	0.023	0.000	0.063
<i>usobacterium</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>elatoclostridium</i>	0.032	0.059	0.191	0.059	0.107	0.095
<i>Hungatella</i>	0.466	0.797	0.000	0.797	1.041	0.008
<b>Genus</b>	<b>AC9-1509</b>	<b>AC9-1512</b>	<b>p -value</b>			
<i>Unclassified</i>	10.126	2.231	0.000			
<i>naerostipes</i>	1.176	0.000	0.000			
<i>olarctobacter</i>	2.143	0.000	0.000			
<i>ahydrobacter</i>	0.056	0.026	0.155			
<i>Oscillibacter</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>Gemmiger</i>	0.023	0.000	0.025			
<i>Eggerthella</i>	0.014	0.000	0.110			
<i>kkermansia</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>Bilophila</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>rabacteroides</i>	1.788	0.390	0.000			
<i>uminococcus</i>	0.000	0.000	1.000			
<i>Roseburia</i>	0.107	0.000	0.000			
<i>avonifractor</i>	0.187	0.000	0.000			
<i>treptococcus</i>	0.056	20.577	0.000			
<i>cinetobacter</i>	0.626	0.462	0.020			
<i>seudomonas</i>	0.182	0.197	0.745			
<i>Bacillus</i>	1.359	0.886	0.000			
<i>arasutterella</i>	1.489	9.240	0.000			
<i>Neisseria</i>	0.000	1.062	0.000			
<i>idobacterium</i>	0.023	14.339	0.000			
<i>Tyzzerella</i>	0.980	0.000	0.000			
<i>Odoribacter</i>	0.121	0.000	0.000			
<i>Escherichia</i>	0.672	4.025	0.000			

<i>Enterococcus</i>	0.037	2.989	0.000
<i>Megasphaera</i>	0.005	0.056	0.002
<i>Optoclostridium</i>	0.719	0.000	0.000
<i>Lactobacillus</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Weillonella</i>	0.070	17.584	0.000
<i>Blautia</i>	0.341	0.000	0.000
<i>Lactococcus</i>	0.462	0.394	0.277
<i>Dialister</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Sutterella</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Cubacterium</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Butyrivibrio</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Abiotrophia</i>	0.000	0.056	0.000
<i>Bacteroides</i>	70.168	2.719	0.000
<i>Alistipes</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Granulicatella</i>	0.000	0.094	0.000
<i>Klebsiella</i>	0.023	9.278	0.000
<i>Megamonas</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Coproccoccus</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Thnocolostridium</i>	2.610	0.017	0.000
<i>Calibacter</i>	3.212	0.377	0.000
<i>Clostridium</i>	0.000	4.633	0.000
<i>Allisonella</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Quiniclostridium</i>	0.075	0.103	0.346
<i>Haemophilus</i>	0.000	8.242	0.000
<i>Parabacterium</i>	0.000	0.021	0.064
<i>Helatoclostridium</i>	0.107	0.000	0.000
<i>Hungatella</i>	1.041	0.004	0.000

#### FMT-associated microbiota changes at the genus level in AC10

Genus	AC10-1510	AC10-1510	p-value	AC10-1510	AC10-1510	p-value
<i>Megasphaera</i>	0.064	0.000	0.000	0.064	0.000	0.000
<i>Myseobacter</i>	0.053	0.761	0.000	0.053	0.247	0.000
<i>Brochothrix</i>	0.011	0.629	0.000	0.011	0.123	0.000
<i>Weillonella</i>	13.444	0.000	0.000	13.444	0.056	0.000
<i>Haemophilus</i>	0.541	0.000	0.000	0.541	0.000	0.000
<i>Streptococcus</i>	1.698	14.722	0.000	1.698	13.175	0.000
<i>Parabacterium</i>	0.011	0.101	0.000	0.011	0.008	1.000
<i>Parabacterium</i>	31.421	41.052	0.000	31.421	48.170	0.000
<i>Optoclostridium</i>	0.605	0.000	0.000	0.605	0.000	0.000
<i>Rhizobium</i>	0.000	0.066	0.000	0.000	0.004	1.000
<i>Lactococcus</i>	0.409	6.780	0.000	0.409	1.647	0.000
<i>Helatoclostridium</i>	0.191	0.000	0.000	0.191	0.243	0.261
<i>Hydrobacter</i>	0.016	0.563	0.000	0.016	0.163	0.000
<i>Morganella</i>	0.955	0.000	0.000	0.955	0.000	0.000
<i>Enterococcus</i>	0.955	0.015	0.000	0.955	0.107	0.000
<i>Clostridium</i>	0.101	0.000	0.000	0.101	0.004	0.000
<i>Paranobacillus</i>	0.042	0.319	0.000	0.042	0.159	0.000
<i>Lactobacillus</i>	0.329	9.519	0.000	0.329	6.055	0.000
<i>Bacillus</i>	0.743	12.186	0.000	0.743	4.607	0.000

<i>cinetobacte</i>	0.324	8.616	0.000	0.324	2.431	0.000
<i>Rothia</i>	0.154	0.000	0.000	0.154	0.004	0.000
<i>Proteus</i>	2.096	0.000	0.000	2.096	0.024	0.000
<i>Escherichia</i>	9.893	0.025	0.000	9.893	20.972	0.000
<i>Elizabethking</i>	0.021	0.167	0.000	0.021	0.020	1.000
<i>Aerococcus</i>	0.000	0.051	0.002	0.000	0.000	1.000
<i>Daminococ</i>	0.472	0.000	0.000	0.472	0.000	0.000
<i>Pseudomona</i>	0.085	2.267	0.000	0.085	1.297	0.000
<i>Rhphyromon</i>	0.000	0.096	0.000	0.000	0.004	1.000
<i>Leuconostoc</i>	0.000	0.015	0.250	0.000	0.000	1.000
<i>Klebsiella</i>	33.512	0.117	0.000	33.512	0.012	0.000
<i>Evundimon</i>	0.005	0.360	0.000	0.005	0.044	0.017
<i>Orthrobacte</i>	0.000	0.015	0.250	0.000	0.004	1.000
<i>Sychrobacte</i>	0.000	0.096	0.000	0.000	0.004	1.000
<i>Providencia</i>	1.805	0.005	0.000	1.805	0.004	0.000
Unclassified	0.042	0.822	0.000	0.042	0.231	0.000
<i>Aphylococc</i>	0.000	0.532	0.000	0.000	0.175	0.000
<i>Solibacillus</i>	0.000	0.101	0.000	0.000	0.008	0.510
<b>Genus</b>	<b>AC10-151</b>	<b>AC10-151</b>	<b>p -value</b>	<b>AC10-151</b>	<b>AC10-151</b>	<b>p -value</b>
<i>Megasphaera</i>	0.064	0.000	0.000	0.064	0.000	0.000
<i>Myseobacter</i>	0.053	0.183	0.000	0.053	0.076	0.420
<i>Brochothrix</i>	0.011	0.085	0.001	0.011	0.103	0.000
<i>Veillonella</i>	13.444	19.897	0.000	13.444	1.817	0.000
<i>Haemophilus</i>	0.541	0.005	0.000	0.541	0.005	0.000
<i>Streptococcus</i>	1.698	16.221	0.000	1.698	20.973	0.000
<i>Avobacteriu</i>	0.011	0.028	0.296	0.011	0.016	0.684
<i>Idobacteriu</i>	31.421	18.709	0.000	31.421	45.218	0.000
<i>Botoclostridi</i>	0.605	0.000	0.000	0.605	0.000	0.000
<i>Rhizobium</i>	0.000	0.009	0.502	0.000	0.000	1.000
<i>Lactococcus</i>	0.409	1.263	0.000	0.409	0.971	0.000
<i>Helatoclostr</i>	0.191	0.000	0.000	0.191	0.000	0.000
<i>Hydrobacte</i>	0.016	0.127	0.000	0.016	0.054	0.055
<i>Morganella</i>	0.955	0.000	0.000	0.955	0.000	0.000
<i>Enterococcus</i>	0.955	0.277	0.000	0.955	0.092	0.000
<i>Clostridium</i>	0.101	0.005	0.000	0.101	0.000	0.000
<i>Geanobacill</i>	0.042	0.108	0.019	0.042	0.081	0.148
<i>Actobacillus</i>	0.329	6.376	0.000	0.329	7.812	0.000
<i>Bacillus</i>	0.743	2.840	0.000	0.743	1.964	0.000
<i>cinetobacte</i>	0.324	1.887	0.000	0.324	1.253	0.000
<i>Rothia</i>	0.154	0.892	0.000	0.154	1.519	0.000
<i>Proteus</i>	2.096	2.094	1.000	2.096	0.152	0.000
<i>Escherichia</i>	9.893	28.136	0.000	9.893	17.230	0.000
<i>Elizabethking</i>	0.021	0.033	0.557	0.021	0.043	0.262
<i>Aerococcus</i>	0.000	0.005	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Daminococ</i>	0.472	0.000	0.000	0.472	0.000	0.000
<i>Pseudomona</i>	0.085	0.479	0.000	0.085	0.385	0.000
<i>Rhphyromon</i>	0.000	0.028	0.033	0.000	0.005	0.495
<i>Leuconostoc</i>	0.000	0.009	0.502	0.000	0.000	1.000

<i>Klebsiella</i>	33.512	0.047	0.000	33.512	0.016	0.000
<i>evundimon</i>	0.005	0.019	0.380	0.005	0.022	0.214
<i>arthrobacte</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>synechobacte</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.011	0.245
<i>Providencia</i>	1.805	0.005	0.000	1.805	0.000	0.000
Unclassified	0.042	0.146	0.001	0.042	0.136	0.003
<i>aphylococc</i>	0.000	0.085	0.000	0.000	0.038	0.007
<i>Solibacillus</i>	0.000	0.005	1.000	0.000	0.005	0.495
<b>Genus</b>	<b>AC10-151</b>	<b>AC10-151</b>	<b>p -value</b>	<b>AC10-151</b>	<b>AC10-151</b>	<b>p -value</b>
<i>Megasphaera</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>cyseobacter</i>	0.761	0.247	0.000	0.247	0.183	0.162
<i>Brochothrix</i>	0.629	0.123	0.000	0.123	0.085	0.251
<i>Veillonella</i>	0.000	0.056	0.000	0.056	19.897	0.000
<i>laemophilu</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.005	0.459
<i>Streptococcu</i>	14.722	13.175	0.000	13.175	16.221	0.000
<i>avobacteriu</i>	0.101	0.008	0.000	0.008	0.028	0.154
<i>fidobacteriu</i>	41.052	48.170	0.000	48.170	18.709	0.000
<i>otoclostridi</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>Rhizobium</i>	0.066	0.004	0.000	0.004	0.009	0.597
<i>Lactococcus</i>	6.780	1.647	0.000	1.647	1.263	0.001
<i>relatoclostr</i>	0.000	0.243	0.000	0.243	0.000	0.000
<i>ahydrobacte</i>	0.563	0.163	0.000	0.163	0.127	0.332
<i>Morganella</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>nterococcus</i>	0.015	0.107	0.000	0.107	0.277	0.000
<i>Clostridium</i>	0.000	0.004	1.000	0.004	0.005	1.000
<i>eanobacillu</i>	0.319	0.159	0.000	0.159	0.108	0.164
<i>actobacillu</i>	9.519	6.055	0.000	6.055	6.376	0.153
<i>Bacillus</i>	12.186	4.607	0.000	4.607	2.840	0.000
<i>cinetobacte</i>	8.616	2.431	0.000	2.431	1.887	0.000
<i>Rothia</i>	0.000	0.004	1.000	0.004	0.892	0.000
<i>Proteus</i>	0.000	0.024	0.038	0.024	2.094	0.000
<i>Escherichia</i>	0.025	20.972	0.000	20.972	28.136	0.000
<i>izabethking</i>	0.167	0.020	0.000	0.020	0.033	0.403
<i>Aerococcus</i>	0.051	0.000	0.000	0.000	0.005	0.459
<i>daminiococ</i>	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	1.000
<i>seudomona</i>	2.267	1.297	0.000	1.297	0.479	0.000
<i>rphyromon</i>	0.096	0.004	0.000	0.004	0.028	0.053
<i>leuconostoc</i>	0.015	0.000	0.085	0.000	0.009	0.210
<i>Klebsiella</i>	0.117	0.012	0.000	0.012	0.047	0.028
<i>evundimon</i>	0.360	0.044	0.000	0.044	0.019	0.195
<i>arthrobacte</i>	0.015	0.004	0.326	0.004	0.000	1.000
<i>synechobacte</i>	0.096	0.004	0.000	0.004	0.000	1.000
<i>Providencia</i>	0.005	0.004	1.000	0.004	0.005	1.000
Unclassified	0.822	0.231	0.000	0.231	0.146	0.043
<i>aphylococc</i>	0.532	0.175	0.000	0.175	0.085	0.010
<i>Solibacillus</i>	0.101	0.008	0.000	0.008	0.005	1.000
<b>Genus</b>	<b>AC10-151</b>	<b>AC10-151</b>	<b>p -value</b>			
<i>Megasphaera</i>	0.000	0.000	1.000			

<i>Myseobacter</i>	0.183	0.076	0.004
<i>Brochothrix</i>	0.085	0.103	0.622
<i>Weillonella</i>	19.897	1.817	0.000
<i>Haemophilus</i>	0.005	0.005	1.000
<i>Streptococcus</i>	16.221	20.973	0.000
<i>Avobacterium</i>	0.028	0.016	0.518
<i>Thiodobacterium</i>	18.709	45.218	0.000
<i>Optoclostridium</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Rhizobium</i>	0.009	0.000	0.503
<i>Lactococcus</i>	1.263	0.971	0.007
<i>Helatoclostridium</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Hydrobacterium</i>	0.127	0.054	0.020
<i>Morganella</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Enterococcus</i>	0.277	0.092	0.000
<i>Clostridium</i>	0.005	0.000	1.000
<i>Peano bacillus</i>	0.108	0.081	0.420
<i>Actobacillus</i>	6.376	7.812	0.000
<i>Bacillus</i>	2.840	1.964	0.000
<i>Cinetobacter</i>	1.887	1.253	0.000
<i>Rothia</i>	0.892	1.519	0.000
<i>Proteus</i>	2.094	0.152	0.000
<i>Escherichia</i>	28.136	17.230	0.000
<i>Elizabethkingia</i>	0.033	0.043	0.615
<i>Aerococcus</i>	0.005	0.000	1.000
<i>Daminococcus</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Pseudomonas</i>	0.479	0.385	0.169
<i>Rhphyromonas</i>	0.028	0.005	0.132
<i>Leuconostoc</i>	0.009	0.000	0.503
<i>Klebsiella</i>	0.047	0.016	0.103
<i>Evundimonas</i>	0.019	0.022	1.000
<i>Orthobacter</i>	0.000	0.000	1.000
<i>Sychrobacter</i>	0.000	0.011	0.215
<i>Providencia</i>	0.005	0.000	1.000
Unclassified	0.146	0.136	0.894
<i>Aphylococcus</i>	0.085	0.038	0.073
<i>Solibacillus</i>	0.005	0.005	1.000